



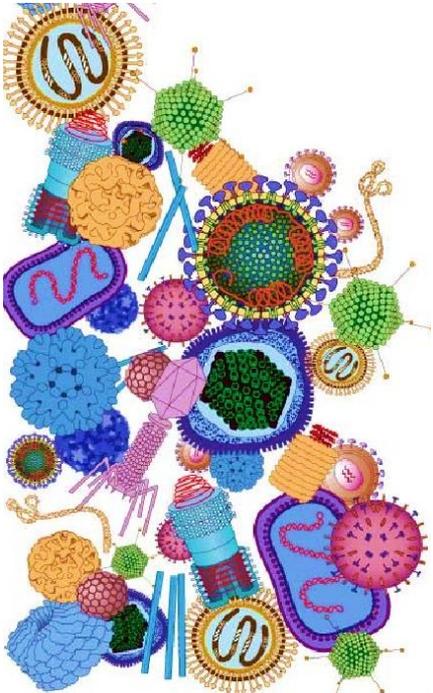
Facultad de Medicina
Clínica Alemana - Universidad del Desarrollo



Oncogénesis Viral

Annemarie Ziegler B., Ph.D.

Oncología Molecular
Agosto 2020

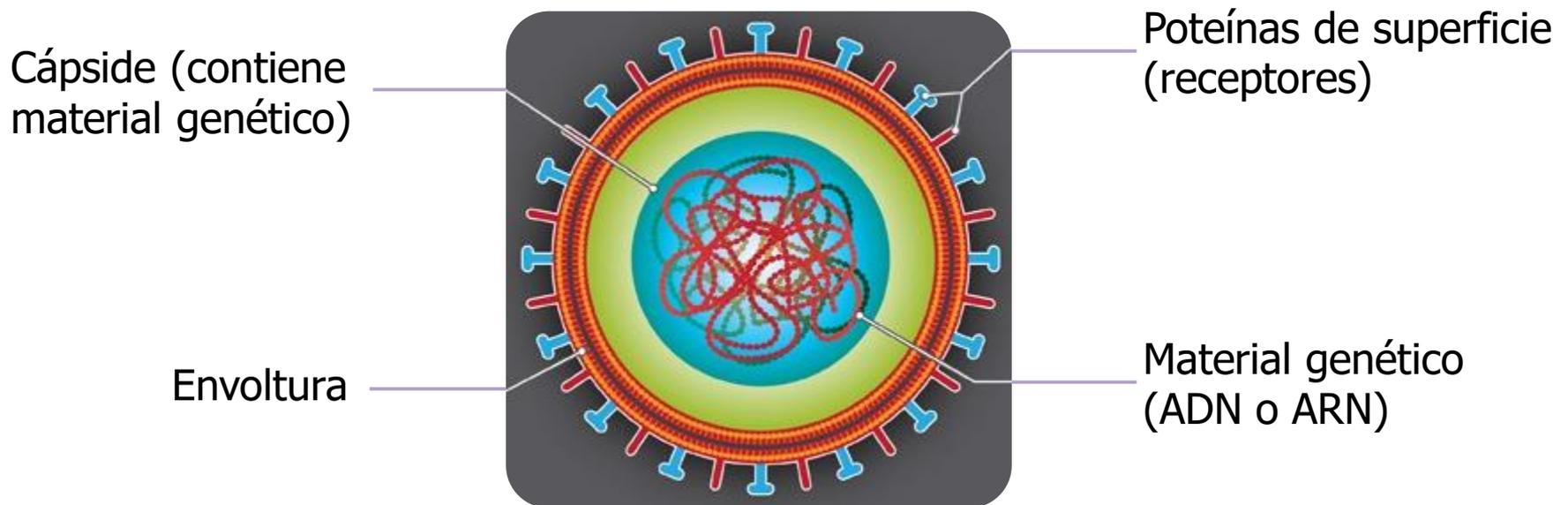


Objetivos

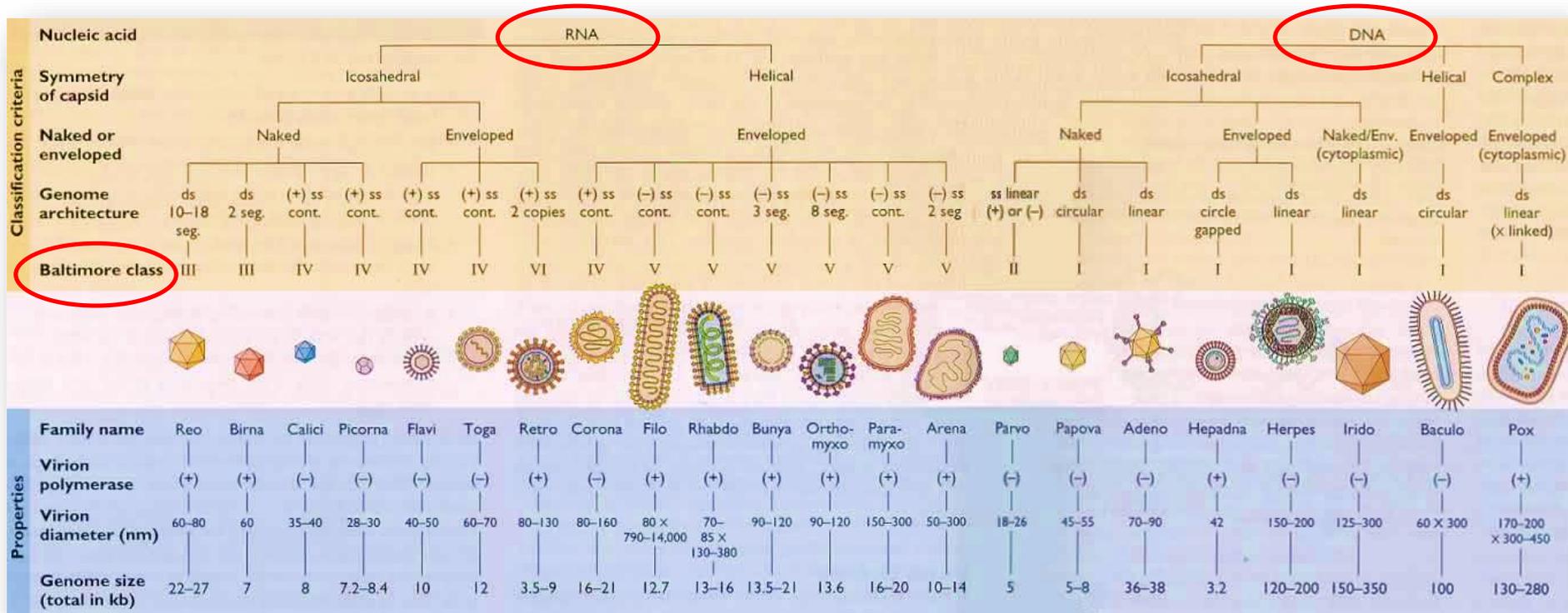
- Distinguir subtipos de virus oncogénicos
- Comprender los mecanismos de oncogenicidad viral
- Conocer ejemplos de enfermedades malignas con etiología viral
- Conocer datos epidemiológicos de enfermedades malignas asociadas a infecciones virales

¿Qué es un Virus?

- Agente infeccioso pequeño
- Replicación sólo en huésped (parásitos intracelulares obligados)
- Genéticamente simples, genoma ADN o ARN



Clasificación (Lwoff, Horne, & Tournier)

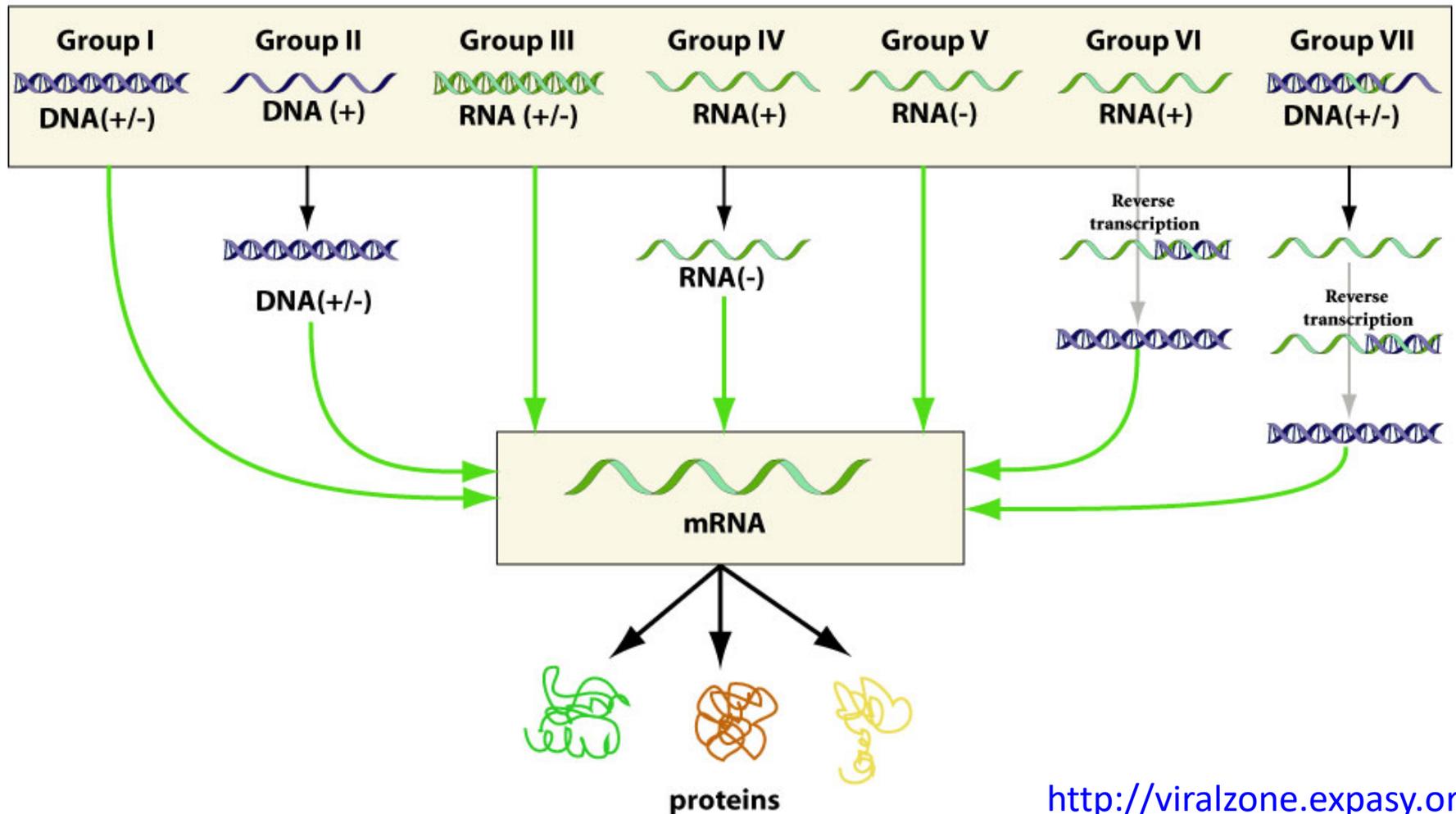
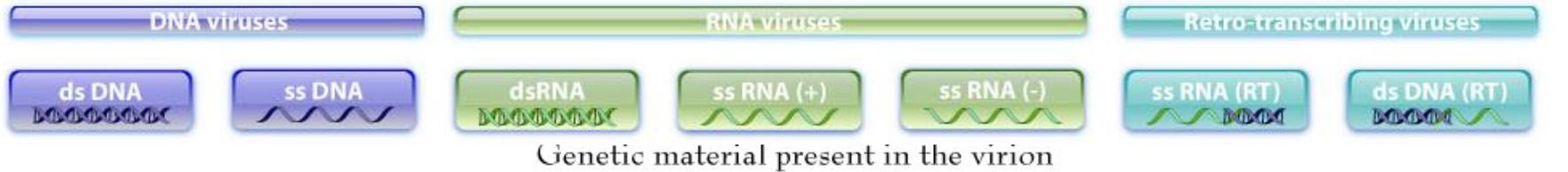


Clasificación jerarquizada (Tipo de ácido nucleico; simetría del cápside; presencia/ausencia de envoltorio; dimensiones del virus y del cápside)

International Committee on Taxonomy of Viruses (ICTV)

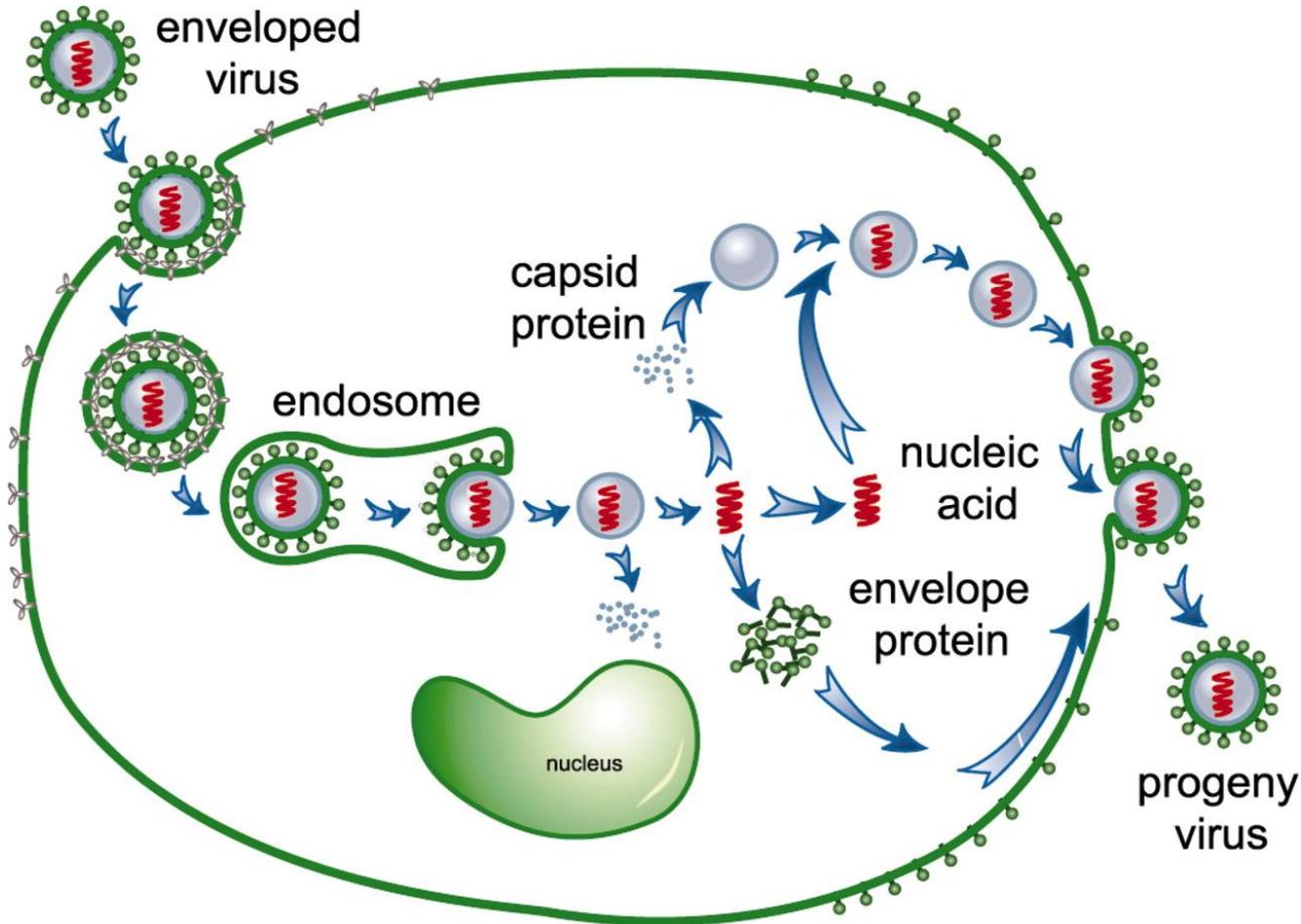
<https://talk.ictvonline.org/>

Clasificación (Baltimore)

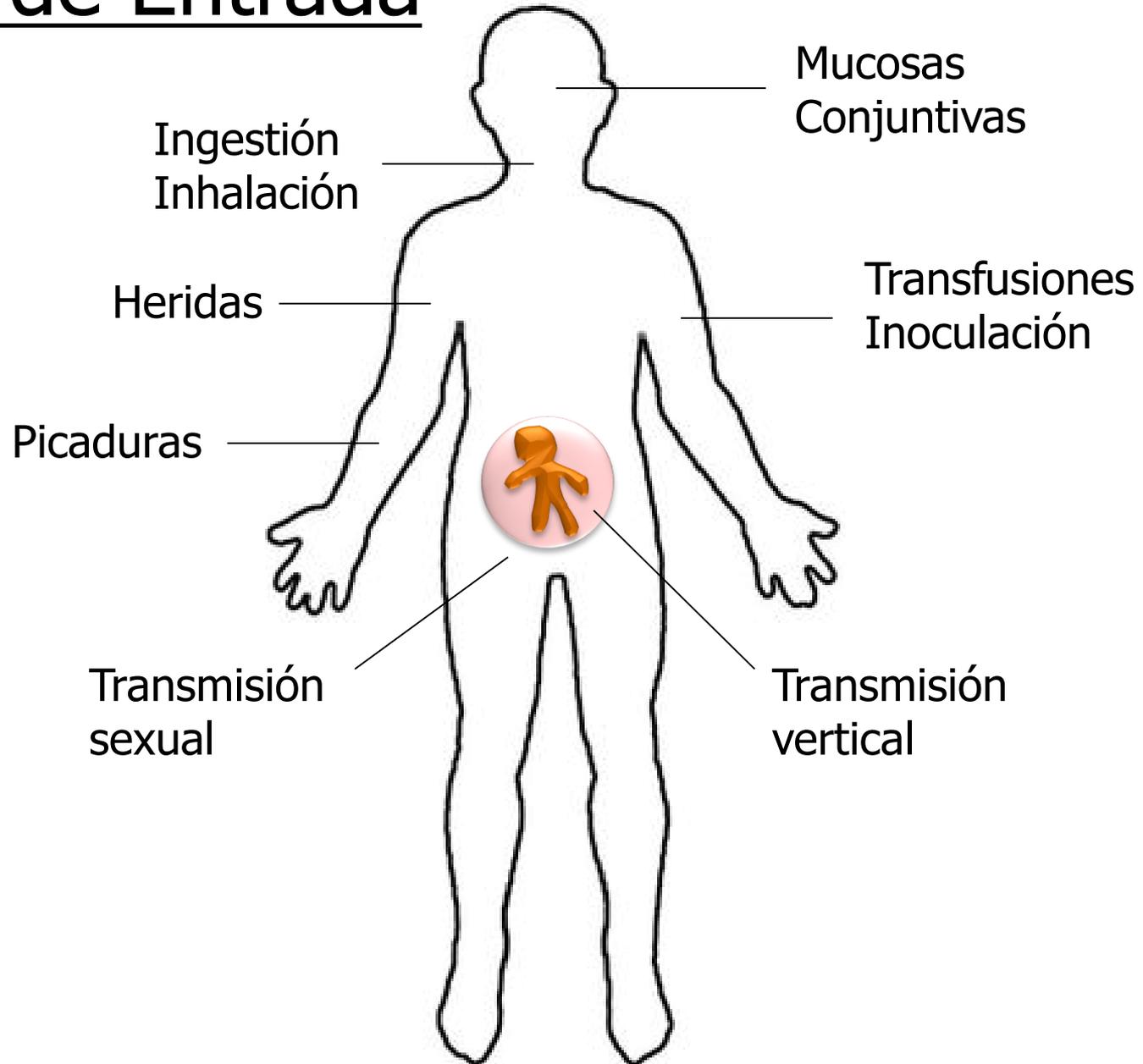


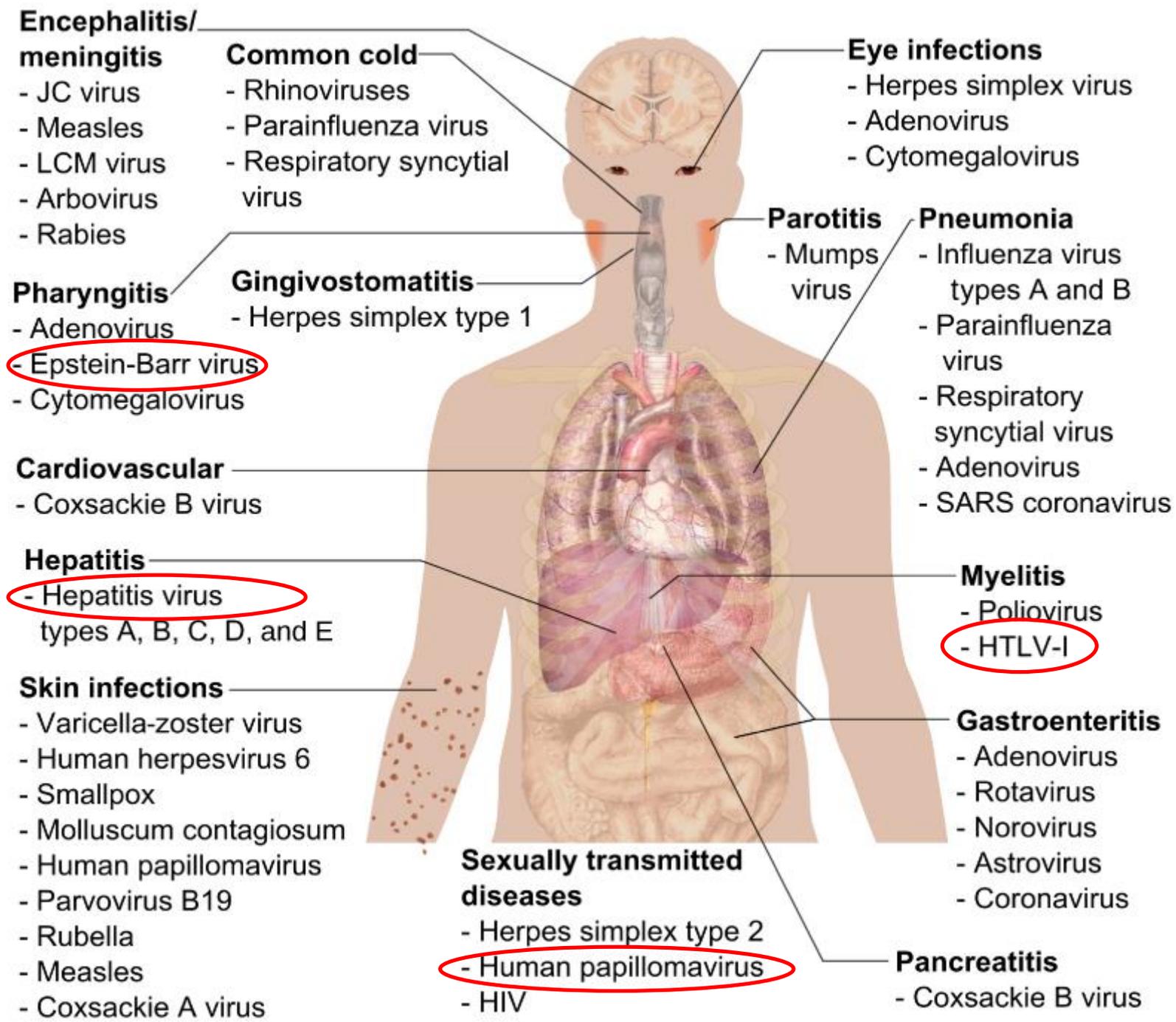
Mecanismos de Infección (1)

- Efectos citopáticos (muerte celular) por multiplicación viral: **ciclo lítico**



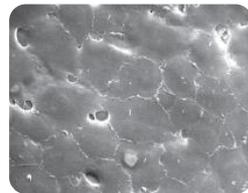
Rutas de Entrada



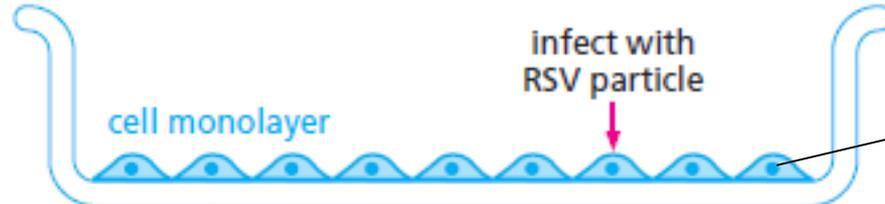


Mecanismos de Infección (2)

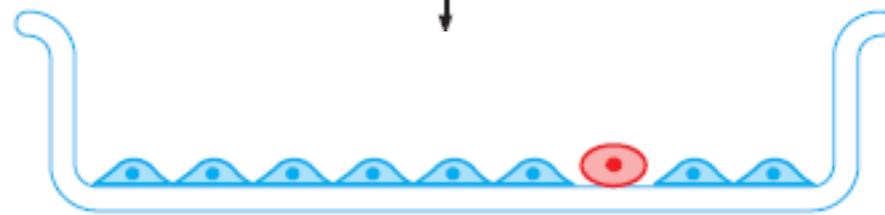
- En algunos casos: inducción de proliferación celular



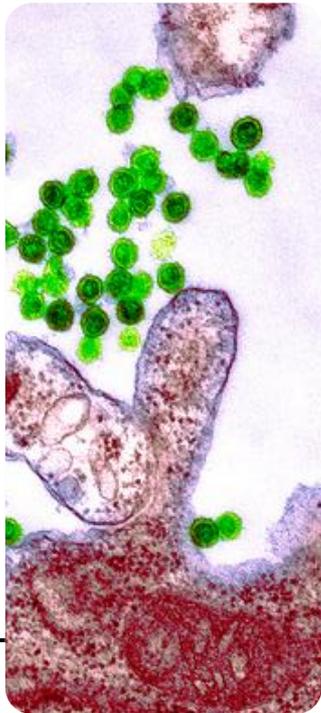
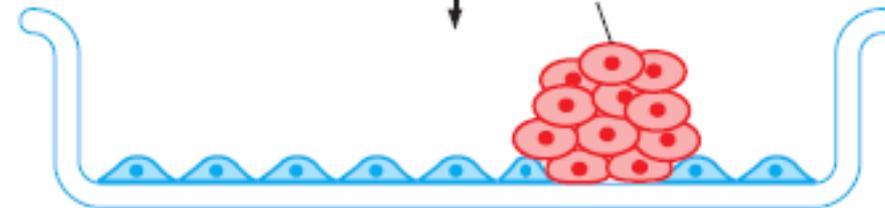
NORMAL



transformation of a cell



focus



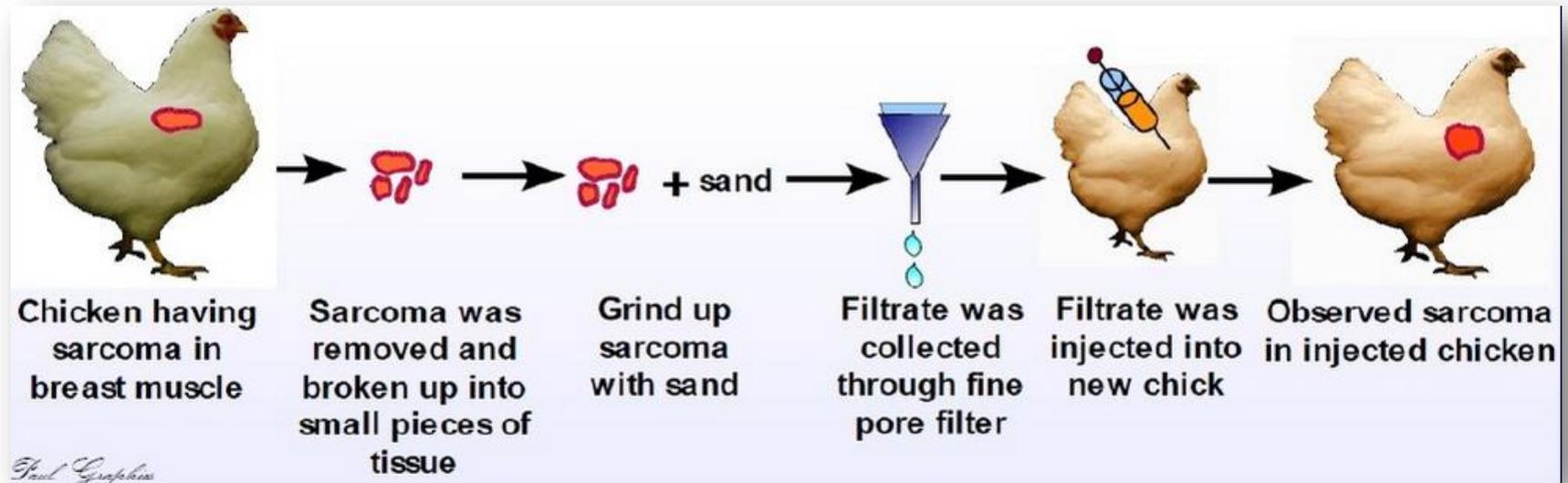
TRANSFORMADO

Inducción de tumores por RSV

- Peyton Rous (1911): Los sarcomas aviares son causados por un agente transmisible



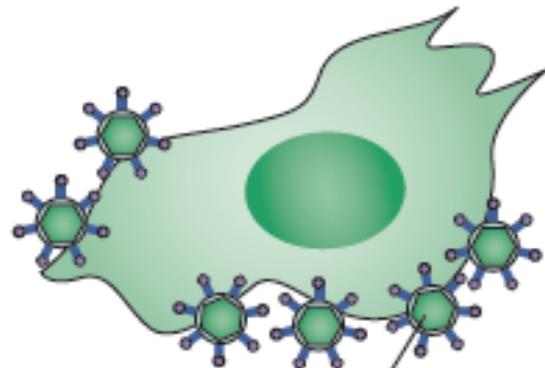
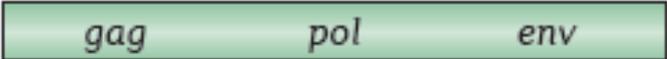
1966



- Identificación del Rous sarcoma virus (RSV) como agente causal de estos tumores

Genoma de Retrovirus y Transformación

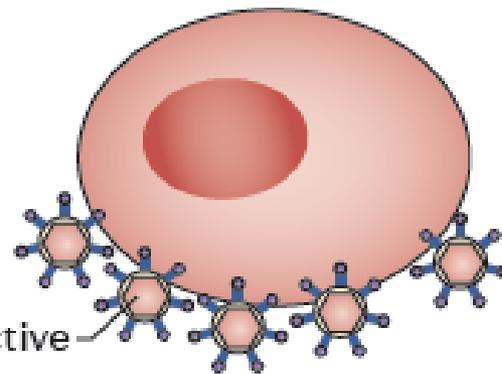
The genome of transformation-defective RSV has lost the *src* gene



Defective RSV replicates but does not transform cells

Transformation-defective RSV

The genome of non-defective RSV carries an extra gene, *src*



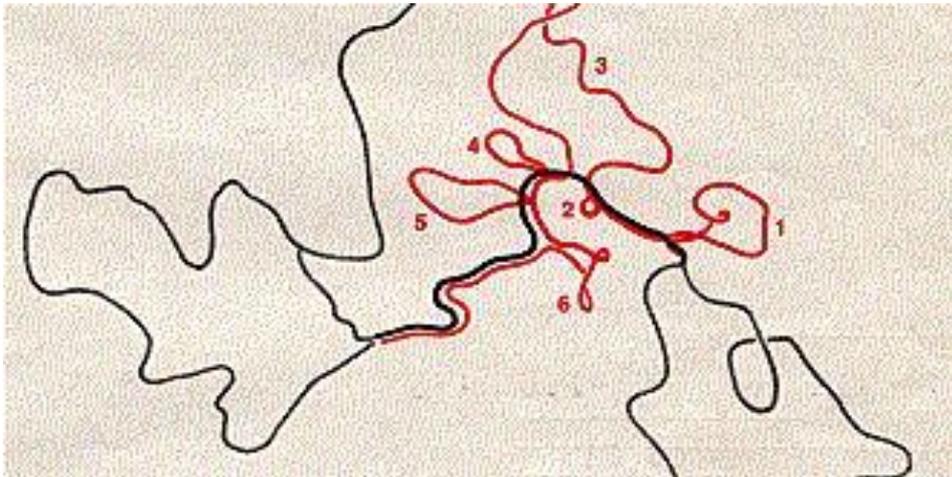
Non-defective RSV transforms cells and replicates

Non-defective RSV

Gen *v-src* Posee un Homólogo Aviar

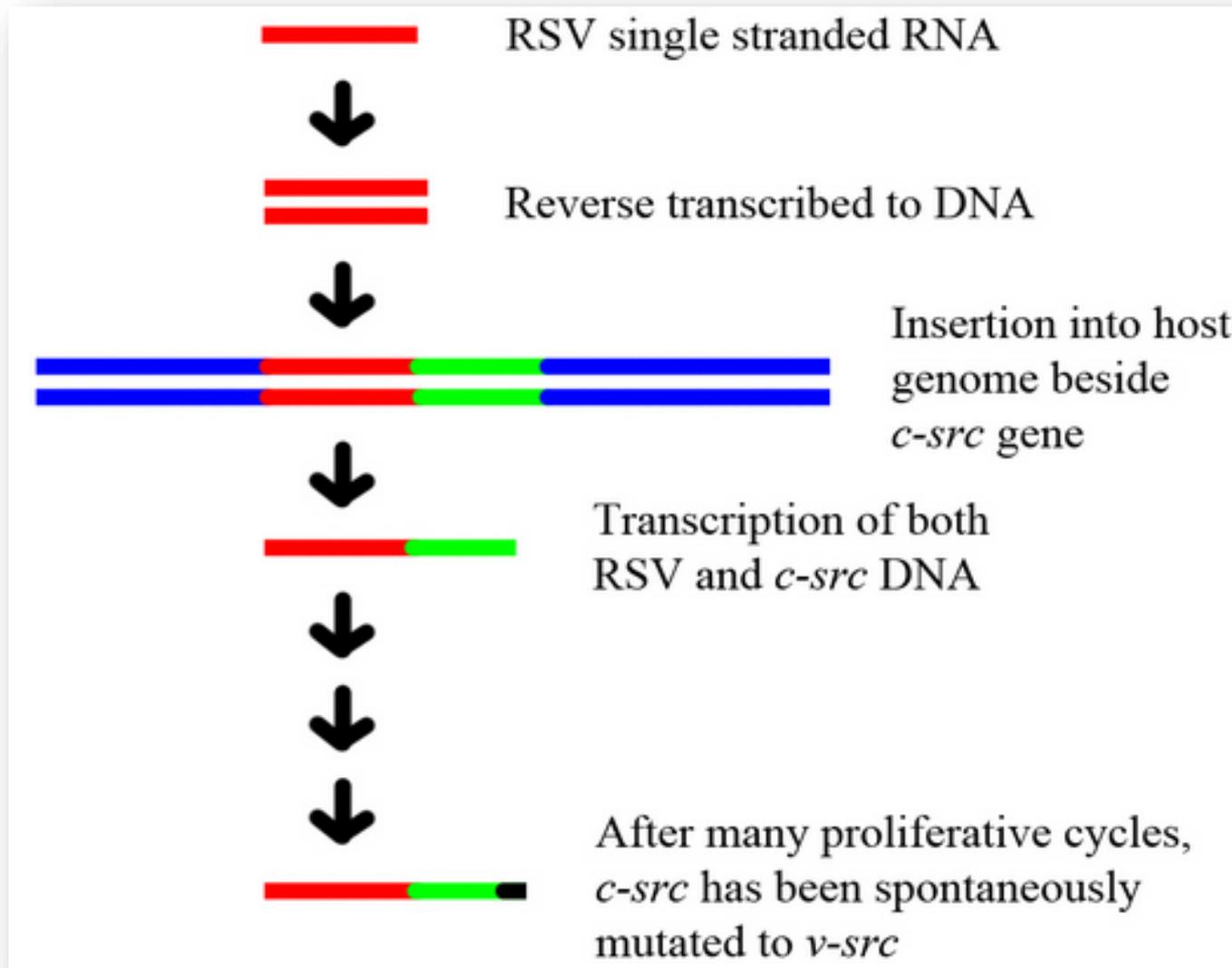


Hibridización
visualizada por
microscopía
electrónica



Interpretación.
¿Cuál es el ADN
aviar y cuál el
viral?

Origen Celular de Oncogenes Virales



c-onc

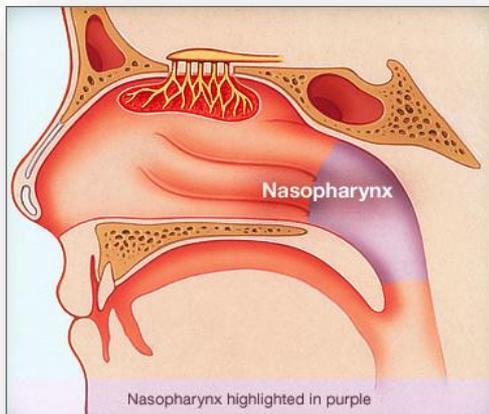
v-onc

Virus Oncogénicos Humanos

	Tumor virus	Associated cancer(s)	Viral oncogenes or potential oncogenes*
DNA	High-risk HPVs	Cervical cancer, anal cancer, penile cancer, vaginal cancer, oropharyngeal cancer	E6, E7
	MCV	Merkel cell carcinoma	T antigens
RNA	HTLV-1	Adult T-cell lymphoma/leukemia	Tax
DNA	EBV	Burkitt lymphoma, Hodgkin lymphoma, non-Hodgkin lymphoma nasopharyngeal cancer, T-cell and NK lymphoma	LMP1
	KSHV	Kaposi's sarcoma, primary effusion lymphoma, multicentric Castleman's disease	LANA, vFLIP, vCyclin, vGPCR, vIRF-1, K1
RNA	HBV	Hepatocellular carcinoma	HBx
	HCV	Hepatocellular carcinoma	Core protein, NS3, NS4B, NS5A

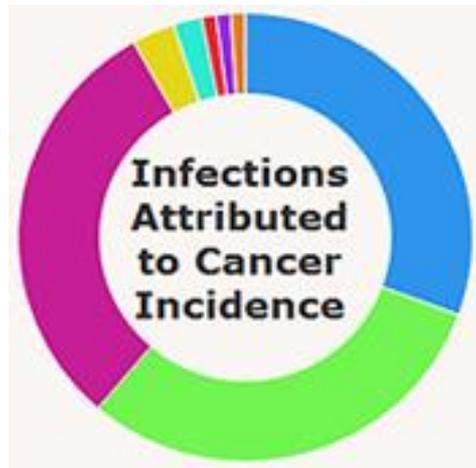
Relevancia

- WHO IARC: en el año 2002, **20%** de los cánceres humanos fueron causados por agentes infecciosos
- Siete virus son los principales agentes causales en este subgrupo (10-15%)
- Posibilidad para medidas preventivas: vacunación (p.ej. HPV)



Cáncer Relacionado a Infección

Datos globales:

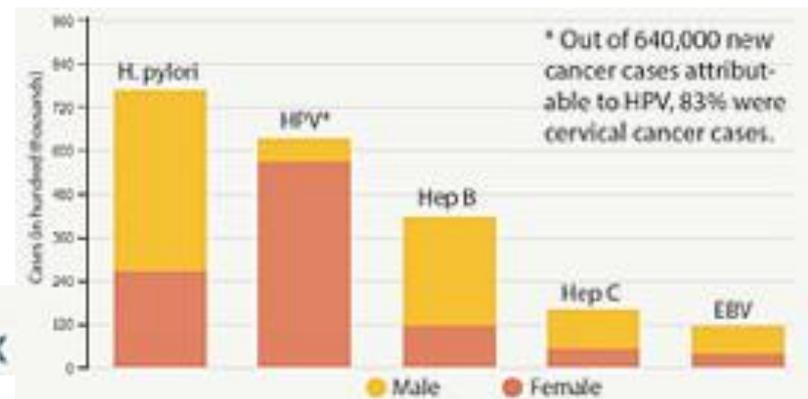


- Hepatitis B and C viruses
- Human papillomavirus
- Helicobacter pylori (H. pylori)
- Epstein-Barr virus
- Human herpes virus type 8
- Human T-cell lymphotropic virus type 1
- Oplsthorchis iverri and Clonochis sinesis
- Schistosoma haematobium

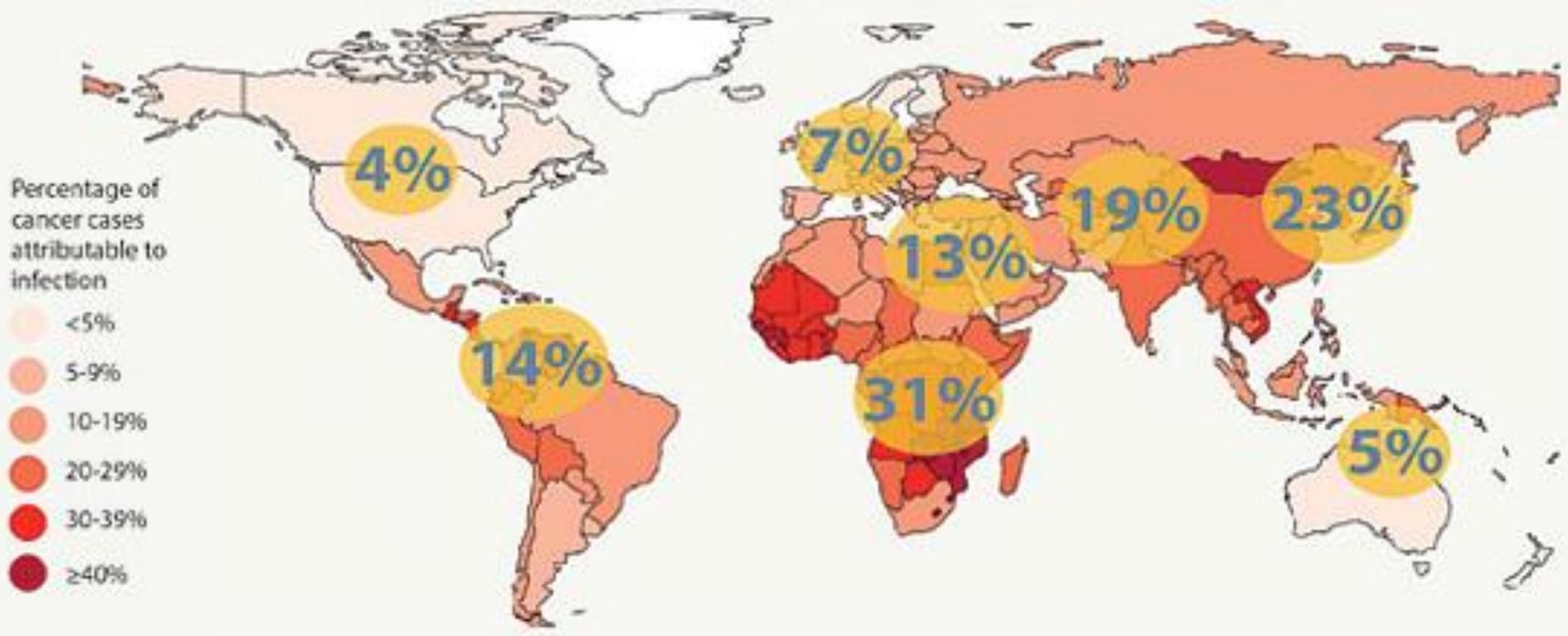
1 in 6 cancer diagnoses were attributed to infections

= 2 million cancer cases

NUMBER OF NEW CANCER CASES ATTRIBUTABLE TO INFECTION, BY SEX

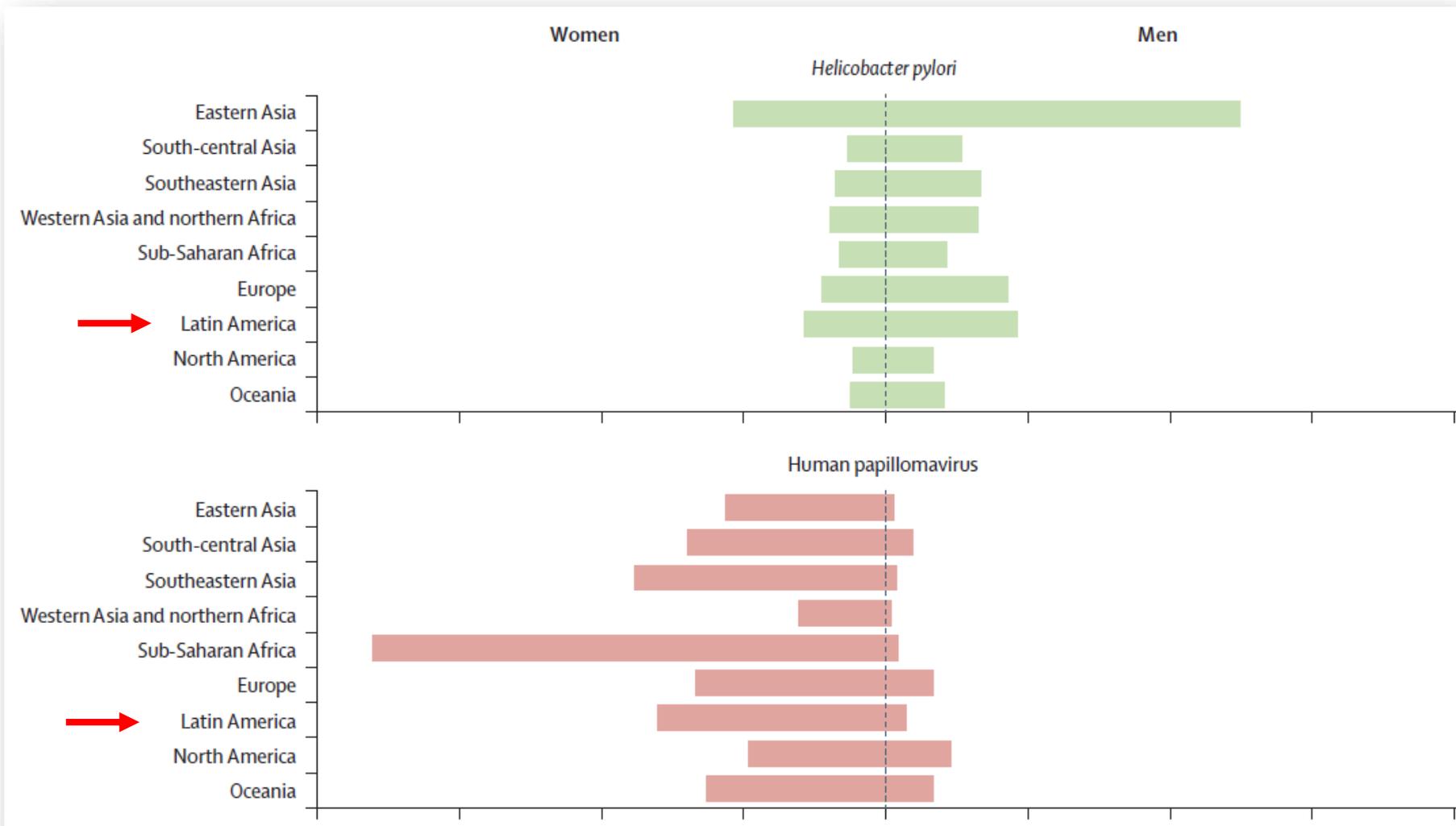


Variación Geográfica



Plummer 2016. Lancet Glob Health 4:e609-16

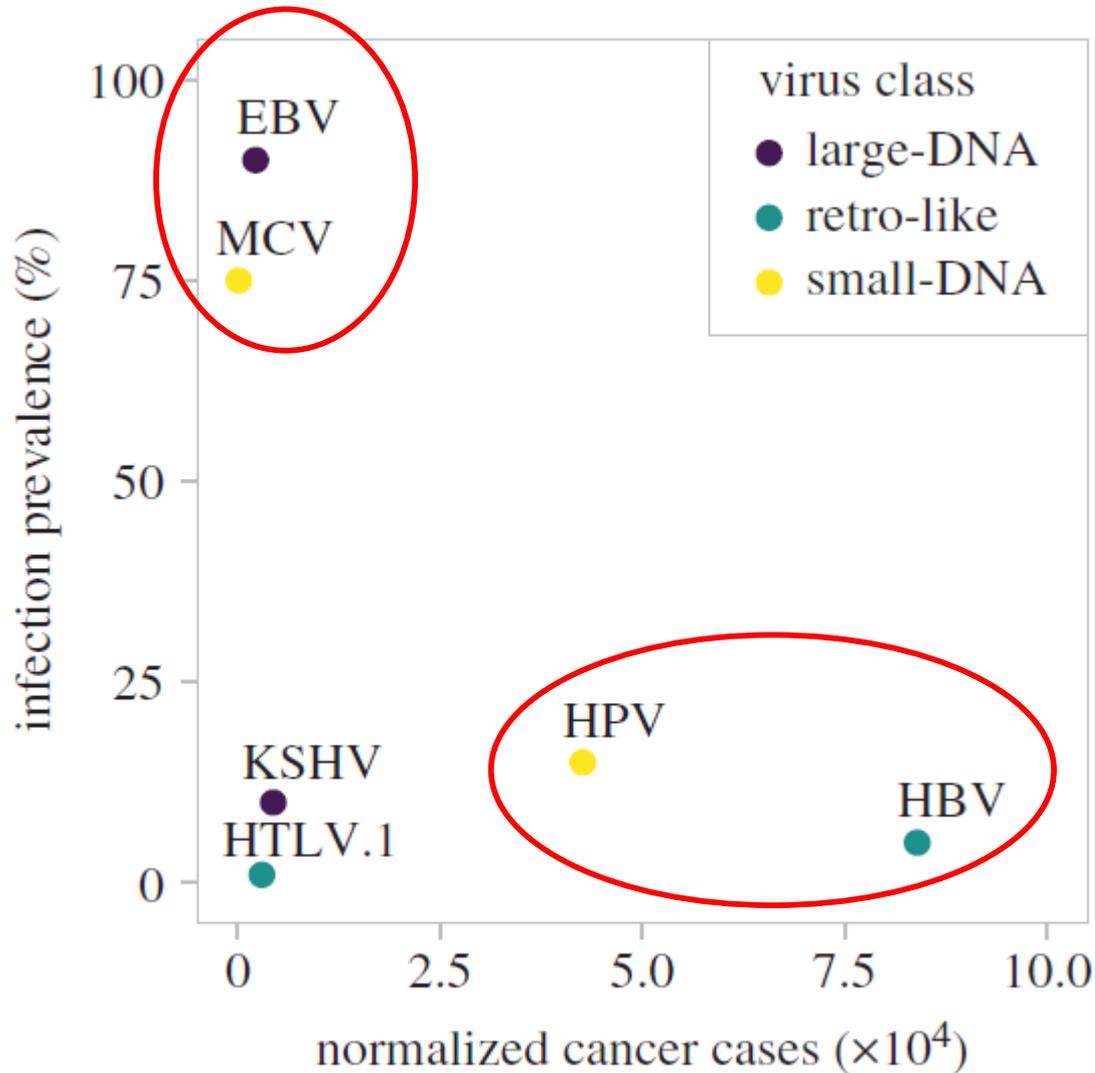
Variación Geográfica



Incidencia de cáncer ajustada por edad (ASIR) 2018, H. pylori y HPV

Virus Oncogénicos: Prevalencia Global

Prevalencia global alta, pero baja tasa de cáncer por infección



Prevalencia global baja, pero alta tasa de cáncer por infección

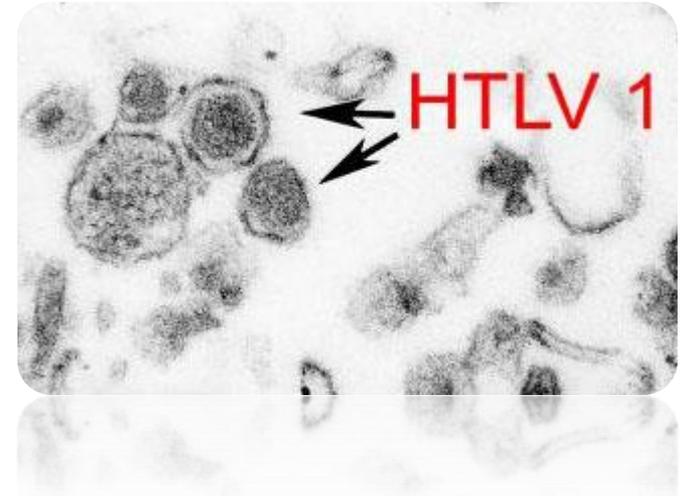
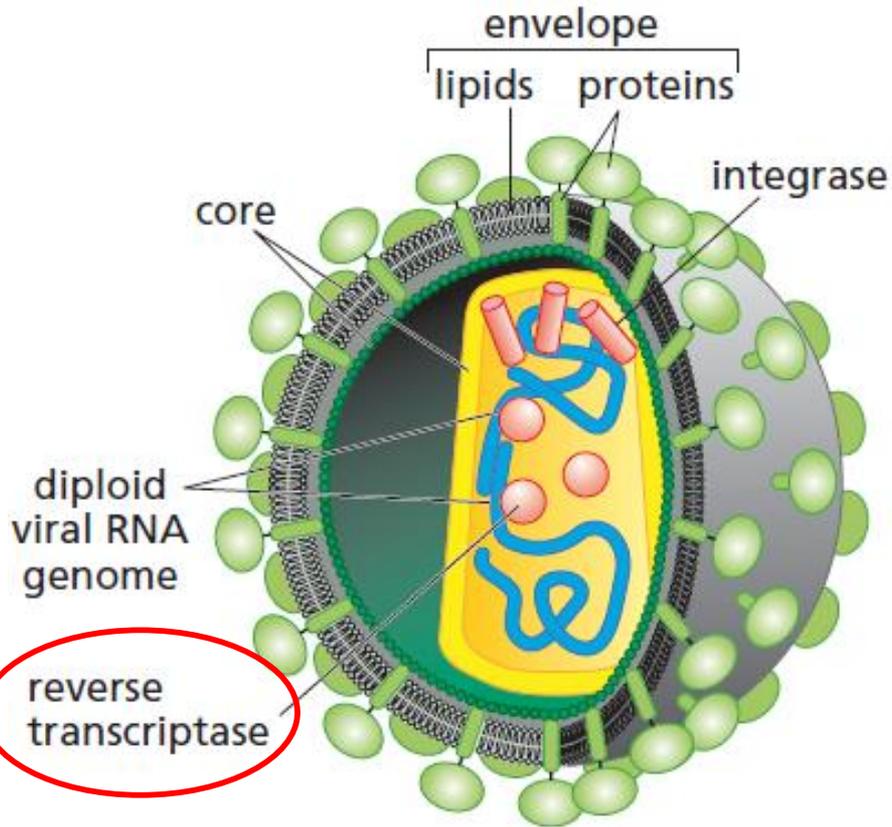
Virus	Cancer	Major regions affected	Refs
Epstein–Barr virus	<ul style="list-style-type: none"> • 40% of Hodgkin lymphoma • >95% of endemic Burkitt lymphoma • 10% gastric carcinoma • Most (type II and III) nasopharyngeal carcinoma • Kaposi sarcoma • Other lymphomas 	<ul style="list-style-type: none"> • East Asia • East Africa • Regions of the Americas 	140,141
Hepatitis B virus	<ul style="list-style-type: none"> • 53% of hepatocellular carcinoma 	<ul style="list-style-type: none"> • Asia • Sub-Saharan Africa • Regions of South America 	142
Human T-lymphotropic virus 1	<ul style="list-style-type: none"> • >99% of adult T cell leukaemia 	<ul style="list-style-type: none"> • Japan • Australia • Regions of Africa, South America and the Middle East 	143,144
Human papillomavirus	<ul style="list-style-type: none"> • >95% of cervical carcinoma • 70% of oropharyngeal carcinoma • Other anogenital carcinomas 	<ul style="list-style-type: none"> • Central America • South America • Sub-Saharan Africa • Regions of Asia 	145,146
Hepatitis C virus	<ul style="list-style-type: none"> • 25% of hepatocellular carcinoma • Non-Hodgkin B cell lymphomas 	<ul style="list-style-type: none"> • Regions of Asia, the Americas, North Africa and the Mediterranean 	147,148
Kaposi sarcoma-associated herpesvirus	<ul style="list-style-type: none"> • >99% of Kaposi sarcoma • >99% of primary effusion lymphoma 	<ul style="list-style-type: none"> • Regions of Europe and sub-Saharan Africa 	149
Merkel cell polyomavirus	<ul style="list-style-type: none"> • 80% of Merkel cell carcinoma 	<ul style="list-style-type: none"> • North America • Australia • Europe 	19,150

RETROVIRUS

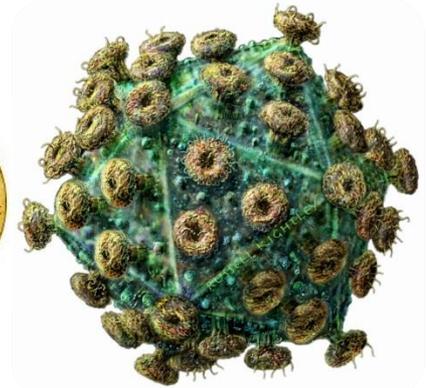
Retrovirus: Características

- Genoma: ARN de hebra simple (ssRNA), 2 copias, aprox 9-10 Kb
- Replican su genoma en el núcleo, intermediario de ADN de dos hebras (dsDNA)
- Mínimo 3 genes: *gag* (proteínas estructurales), *pol* (enzimas para replicación), *env* (proteínas de reconocimiento células huésped)
- Integración al genoma del huésped

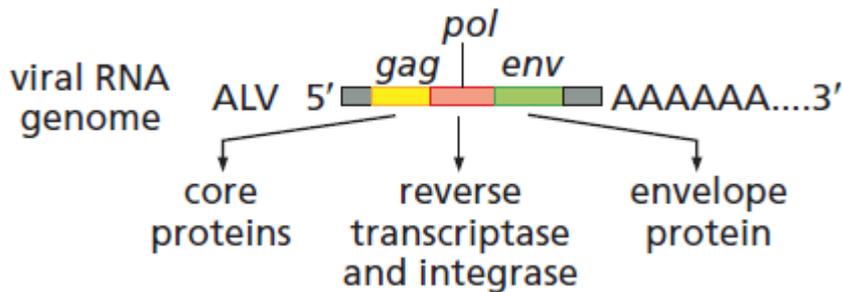
Retrovirus: Estructura y Genoma



2008

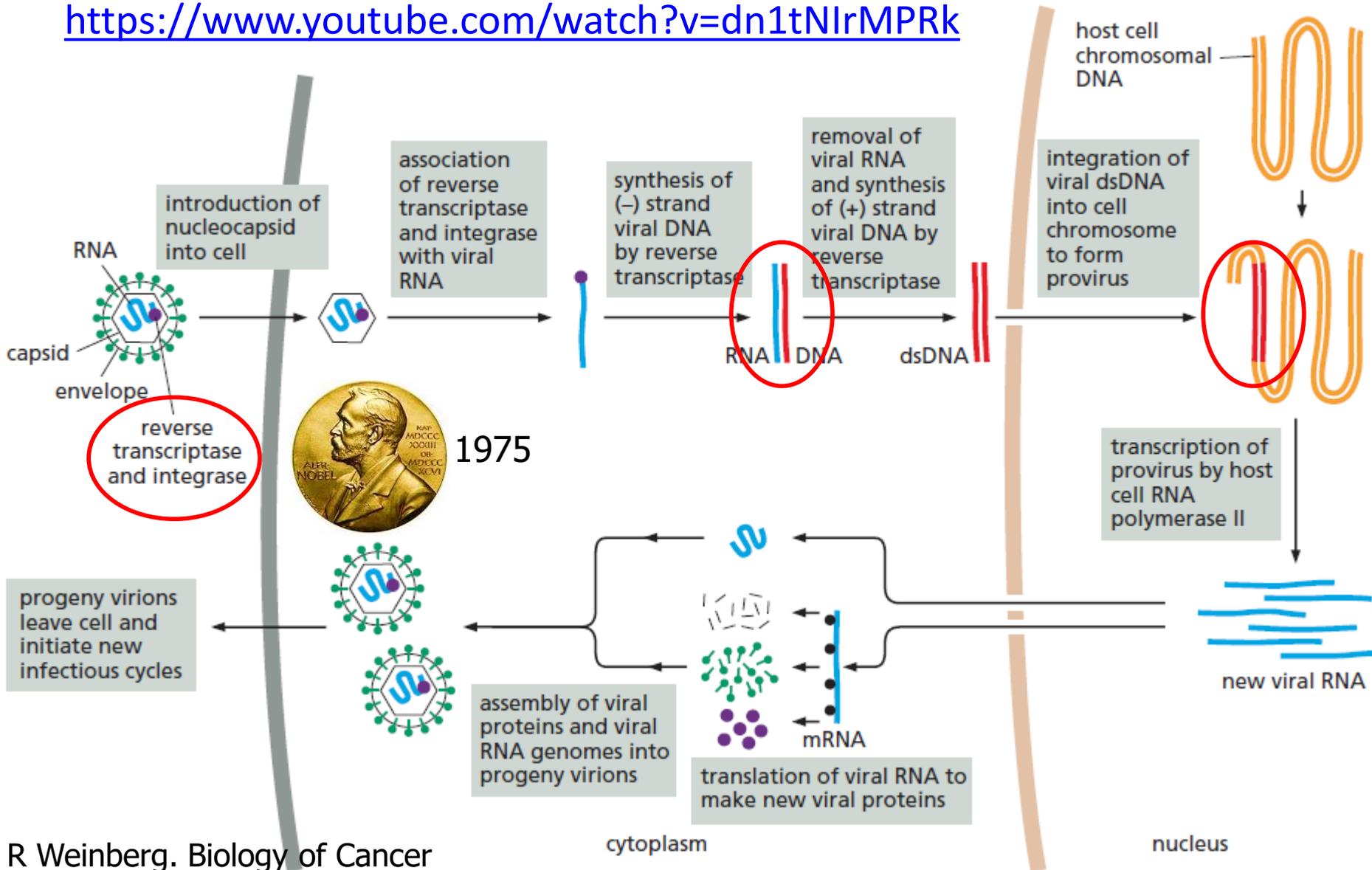


HIV (HTLV-3)



Ciclo de Vida: Retrovirus

<https://www.youtube.com/watch?v=dn1tNlrMPRk>



HTLV-I (Human T-Cell Leukemia Virus 1)

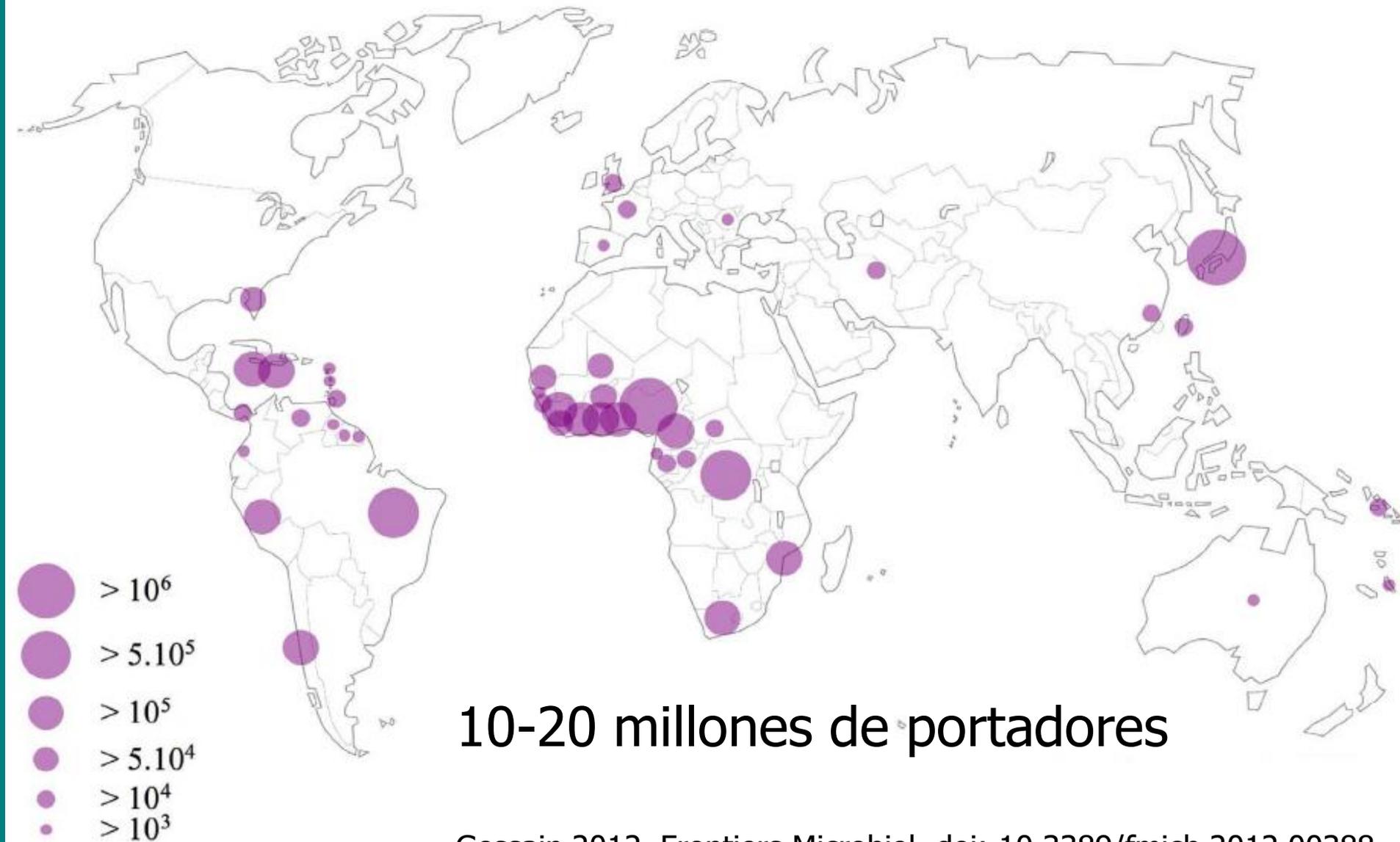
- Primer retrovirus oncogénico identificado (1974, R. Gallo)
- Áreas endémicas, posible efecto fundador
- Diferentes subtipos (4 variantes principales)

Transmisión:

- Sexual (principalmente de hombre a mujer)
- Madre a hijo: lactancia (menos: transplacentaria)
- Componentes celulares sangre (Transfusión, jeringas contaminadas)
- Origen probable: Transmisión interespecies a partir de STLV-1 de primates

https://www.youtube.com/watch?v=hY_oV0QPgQU

HTLV-I: Distribución Geográfica



HTLV-I en Chile

- Virus ancestral, amerindia de Los Andes
- Genotipo: Cosmopolita
- Seroprevalencia: 0.3-0.73% en donantes de sangre, 1-9% en pueblos originarios; momia ~1.500 años
- No existe tratamiento efectivo ni vacuna
- 2010-2014: ISP detectó HTLV-1 en 42.1% de 6.006 muestras recibidas para confirmación del virus (2.531 casos)

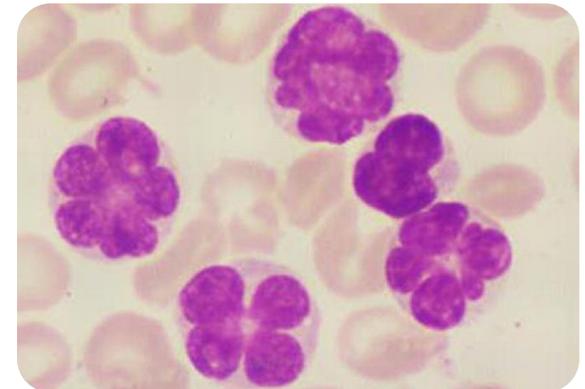
HTLV-I y Condiciones Clínicas

Cuadros asociados:

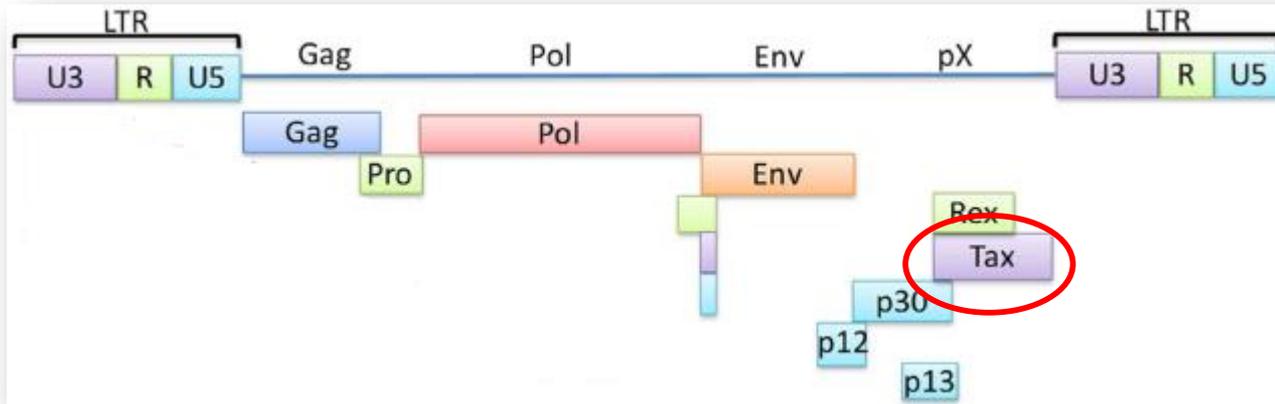
- Leucemia/linfoma de células T del adulto (ATL) → lactancia
- Paraparesia Espástica Tropical o Mielopatía Asociada al HTLV-I (TSP/HAM) → transfusión
- Asociado con Síndrome de Sjögren, polimiositis, broncoalveolitis, tiroiditis, poliartritis y uveitis
- 90% portadores asintomáticos

Mal pronóstico

«Flower cells»

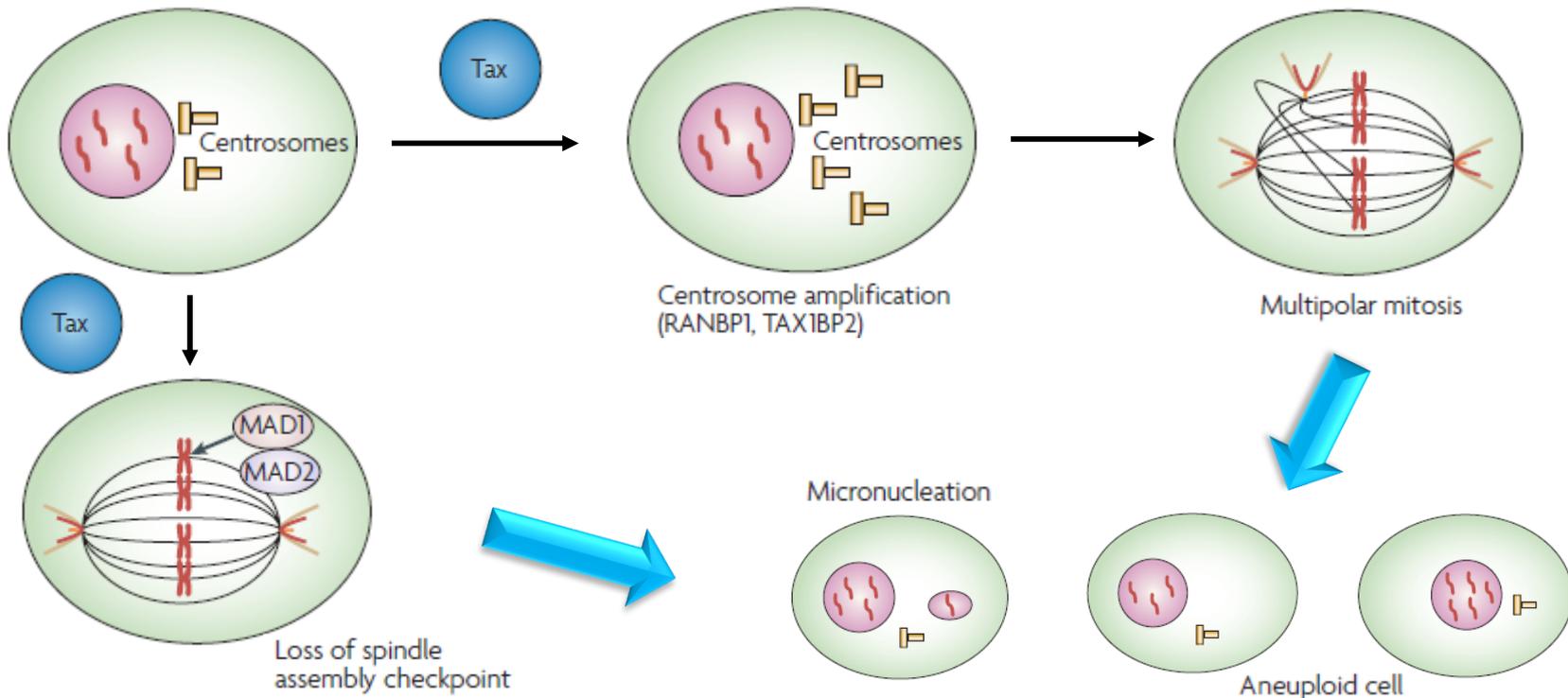


¿Por qué HTLV-I es Transformante?

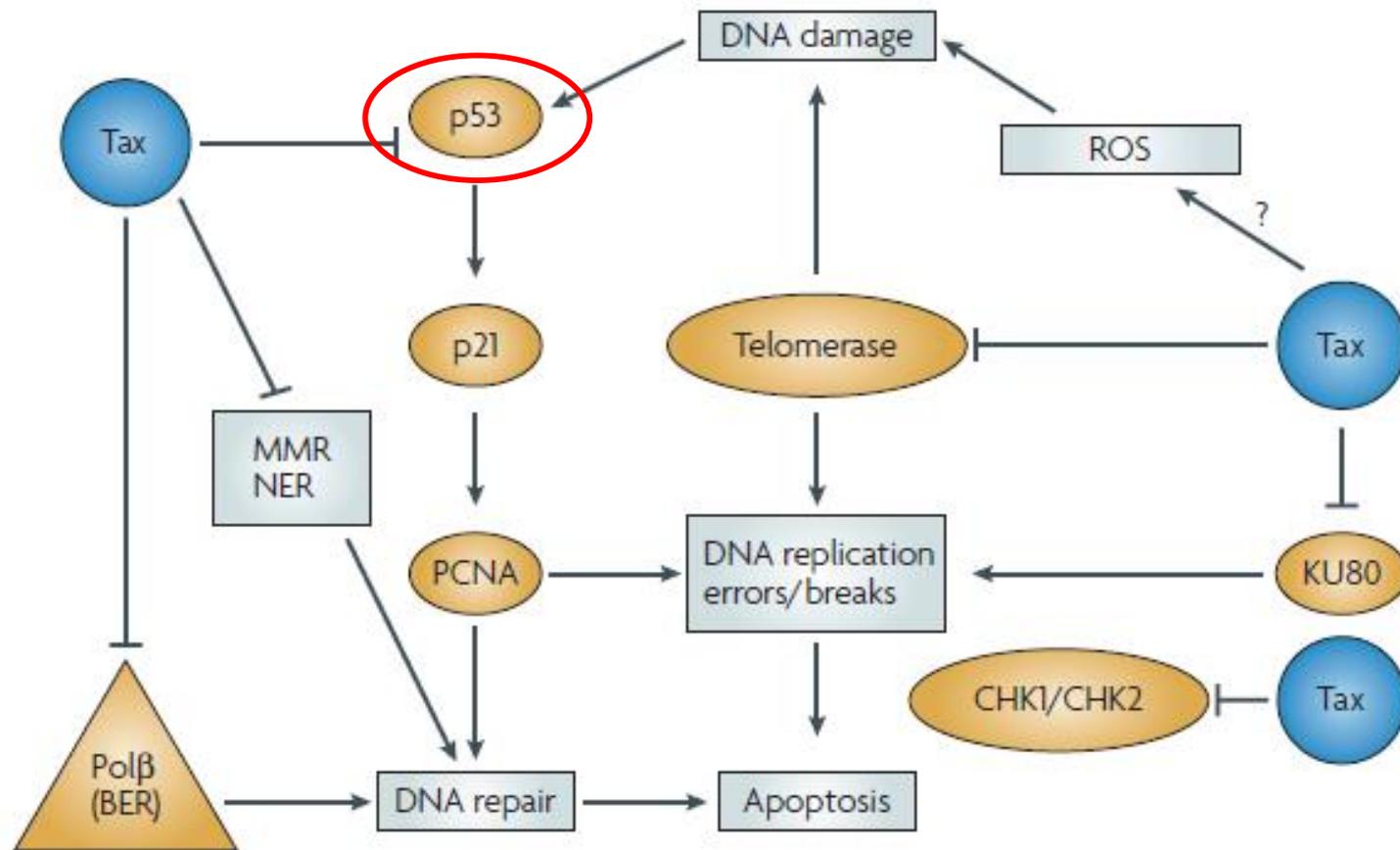


Genoma
HTLV-1

Currer 2012. Frontiers Microbiol 3: Article 406



¿Por qué HTLV-I es Transformante?



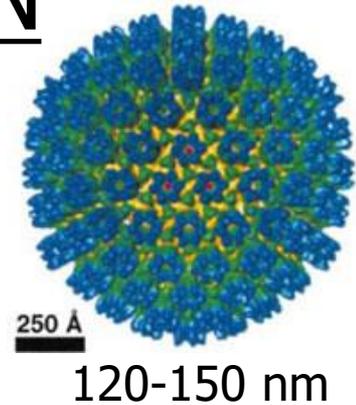
Tax → Daño clasotgénico (quiebres cromosómicos)

Virus ADN

Virus Oncogénicos Humanos: ADN

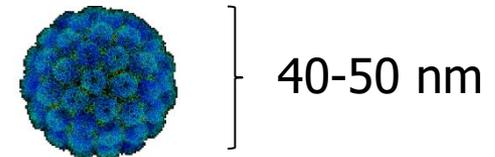
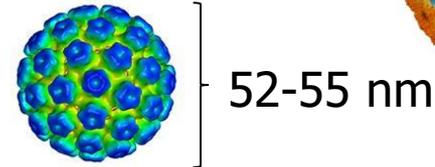
Herpesviridae

- Human Herpes Virus 8 o virus asociado a sarcoma de Kaposi (HHV8 o KSHV)
- Epstein Barr Virus (HHV4 o EBV)



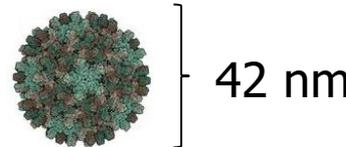
Papovaviridae

- Human Papilloma Virus (HPV)
- Merkel Cell Polyoma Virus (MCPV)



Hepadnaviridae

- Hepatitis B Virus (HBV)



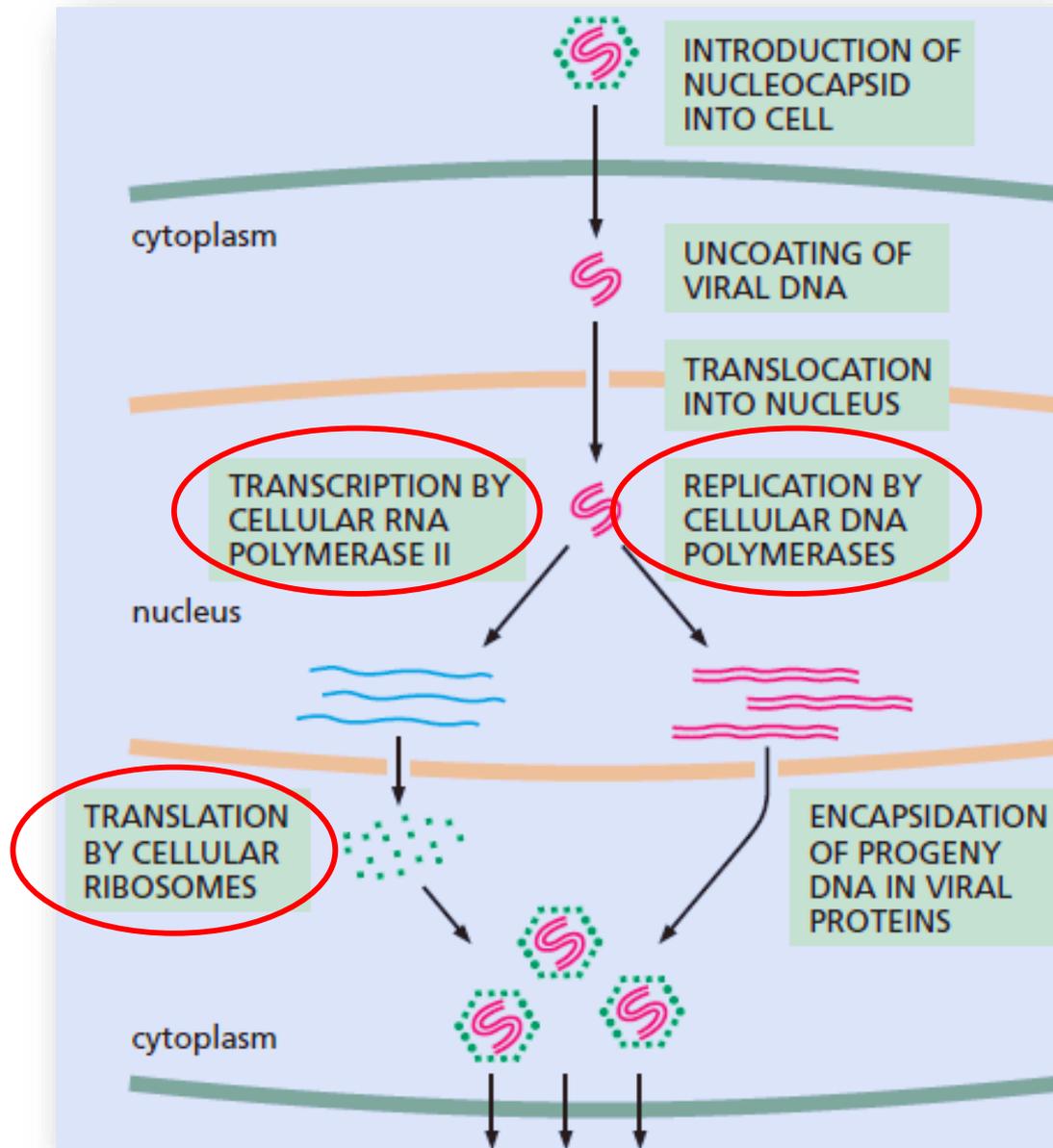
HPV (Human Papilloma Virus)

- Virus ADN, genoma de doble hebra, ~8 Kb
- Infecta piel y células epiteliales
- >100 subtipos, sólo 13 son agentes causales de cáncer
- Infecciones frecuentes, algunas asintomáticas; persistencia en el tiempo
- Lesiones benignas (verrugas)

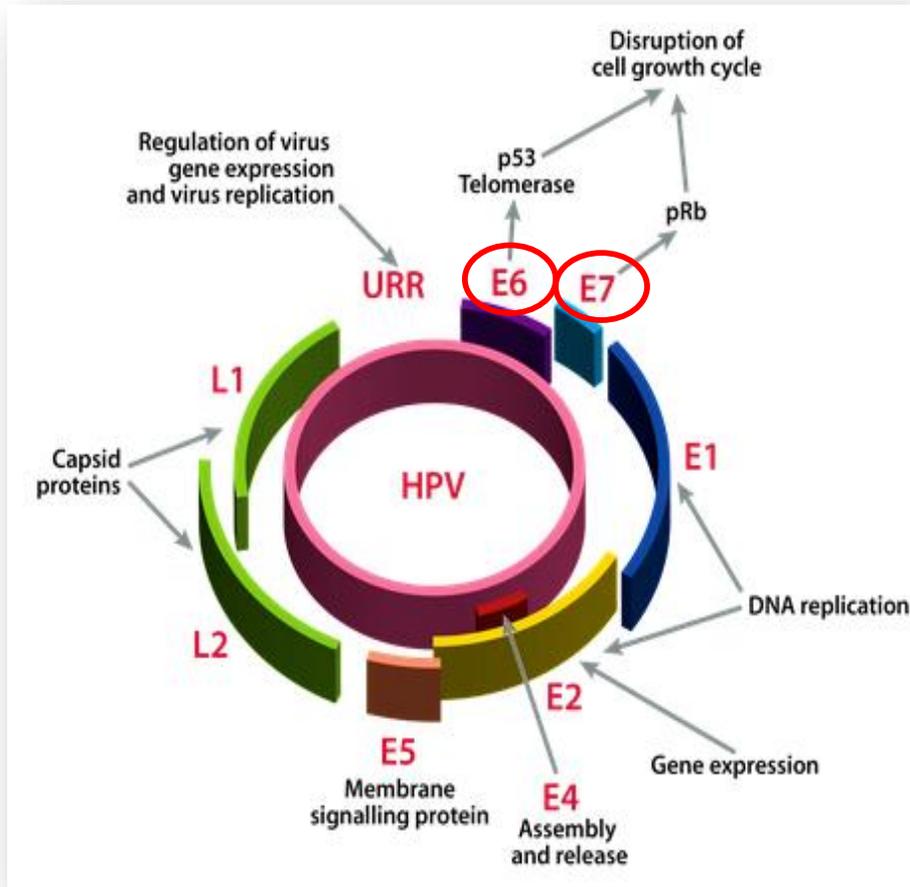
Transmisión:

- Sexual (principalmente de hombre a mujer)
- Vertical (embarazo, lactancia)

HPV Ciclo de Vida (Virus dsDNA)

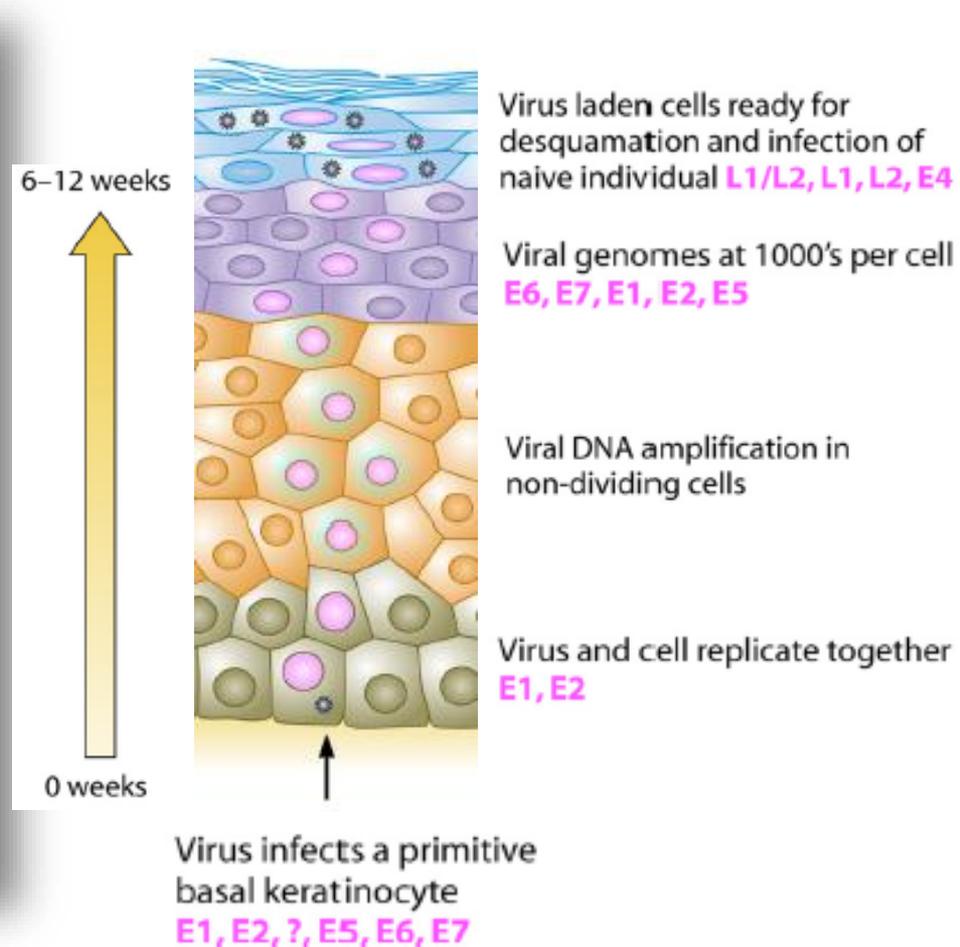


HPV: Genoma e Infección



L = Late genes

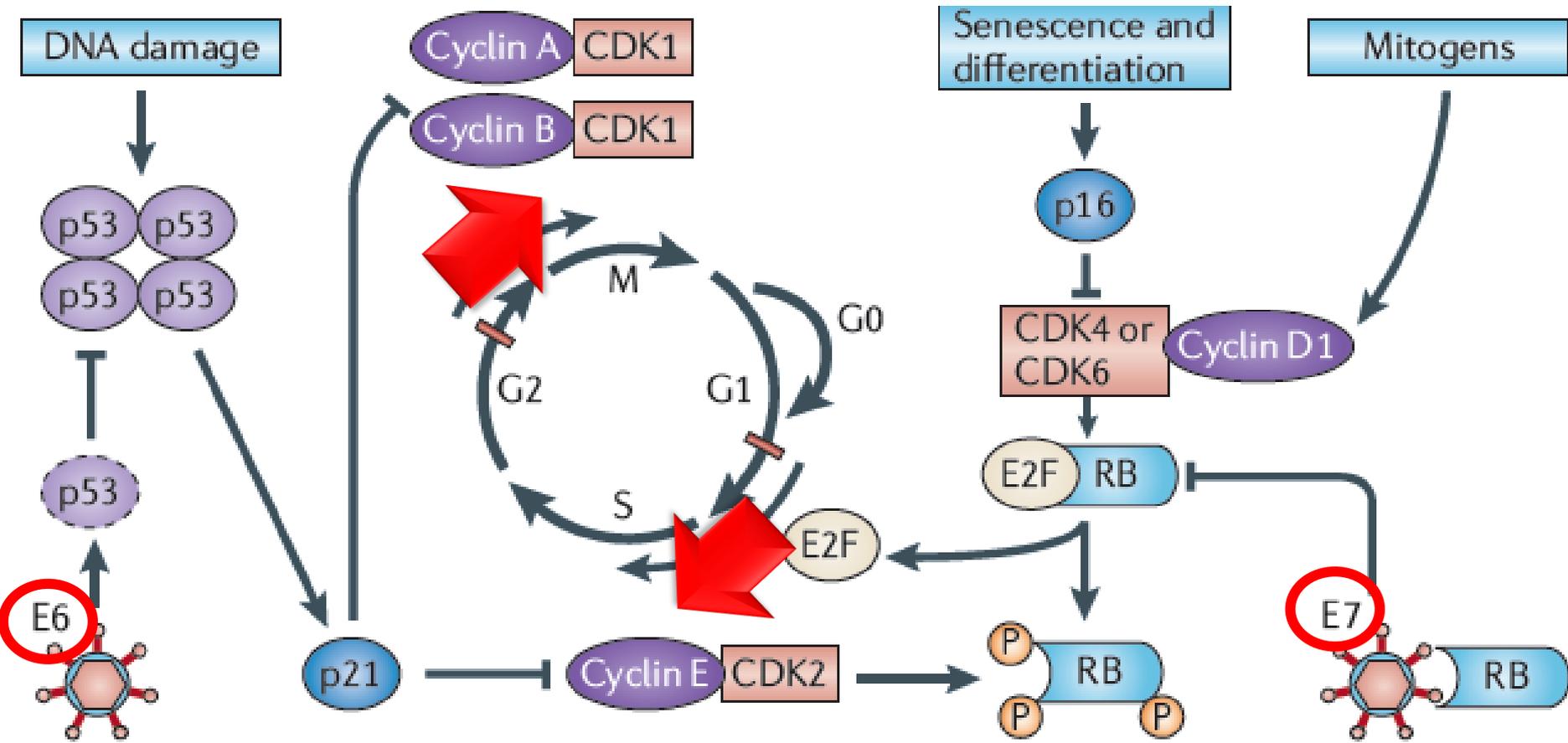
E = Early genes



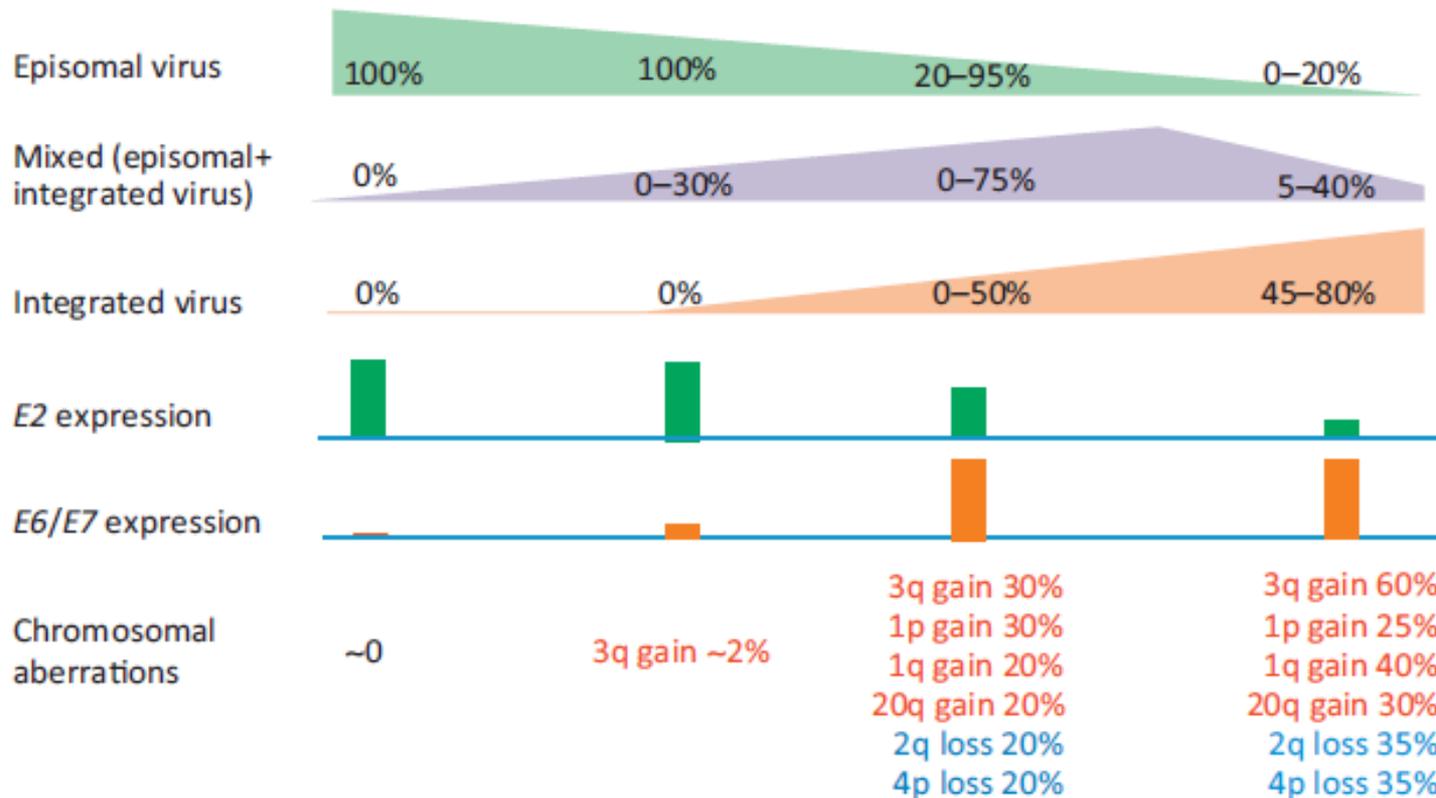
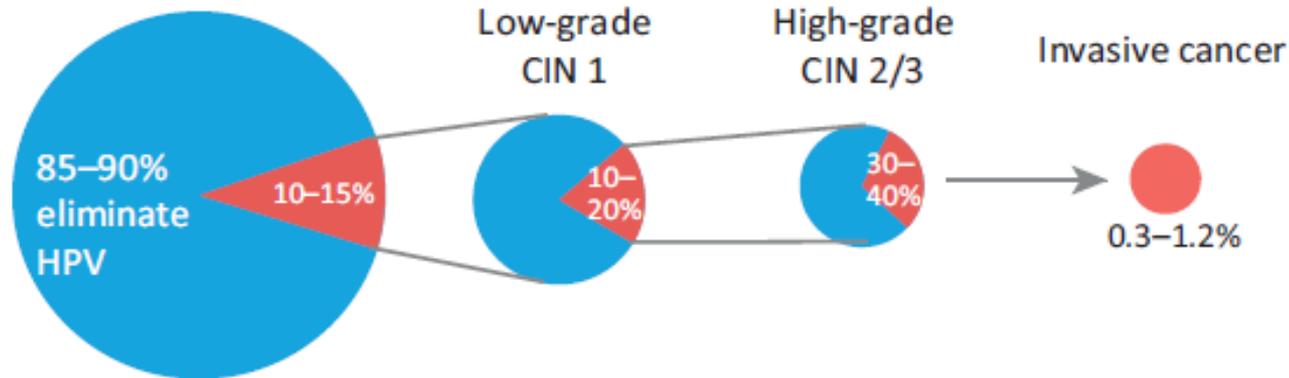
Stanley 2012, Clin Microbiol Rev. doi:10.1128/CMR.05028-11

<https://www.youtube.com/watch?v=WSL8rBMWW1Y>

HPV: Mecanismos de Oncogénesis Viral

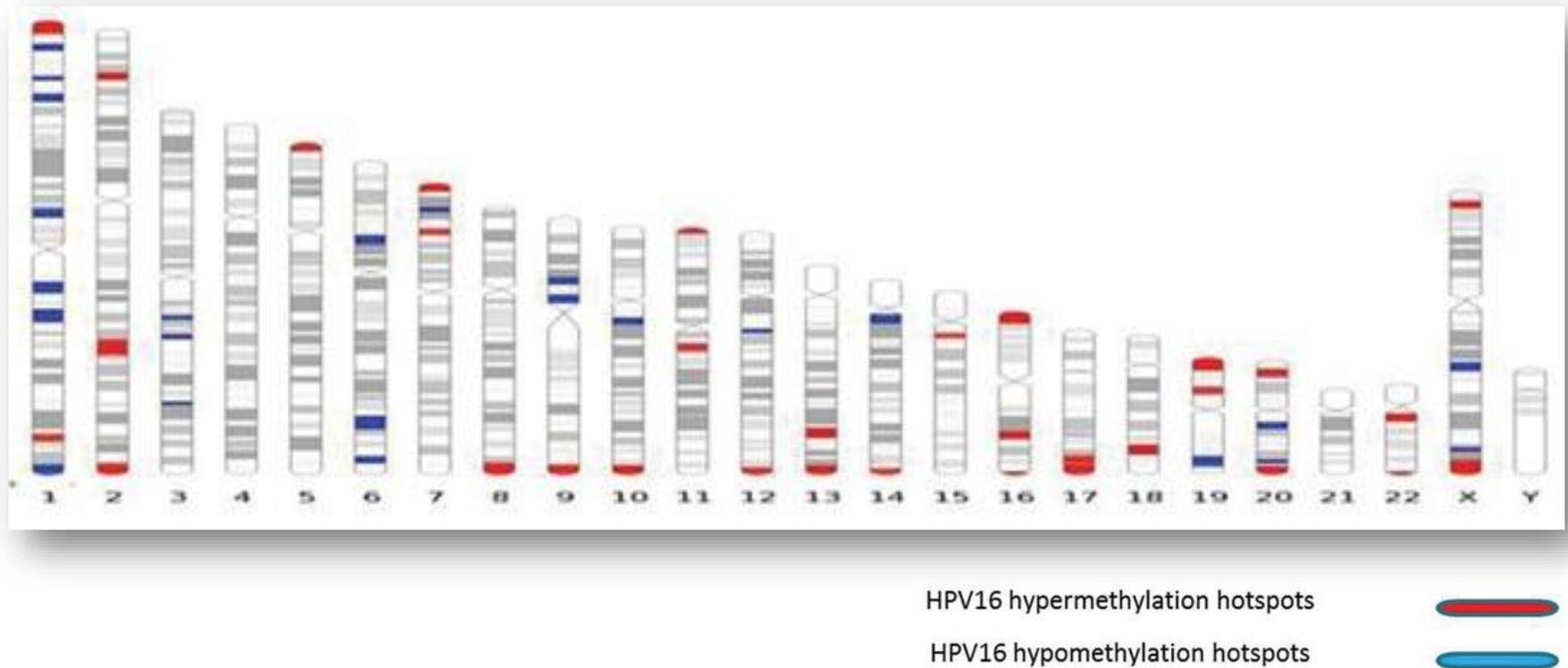


HPV y Evolución Tumoral

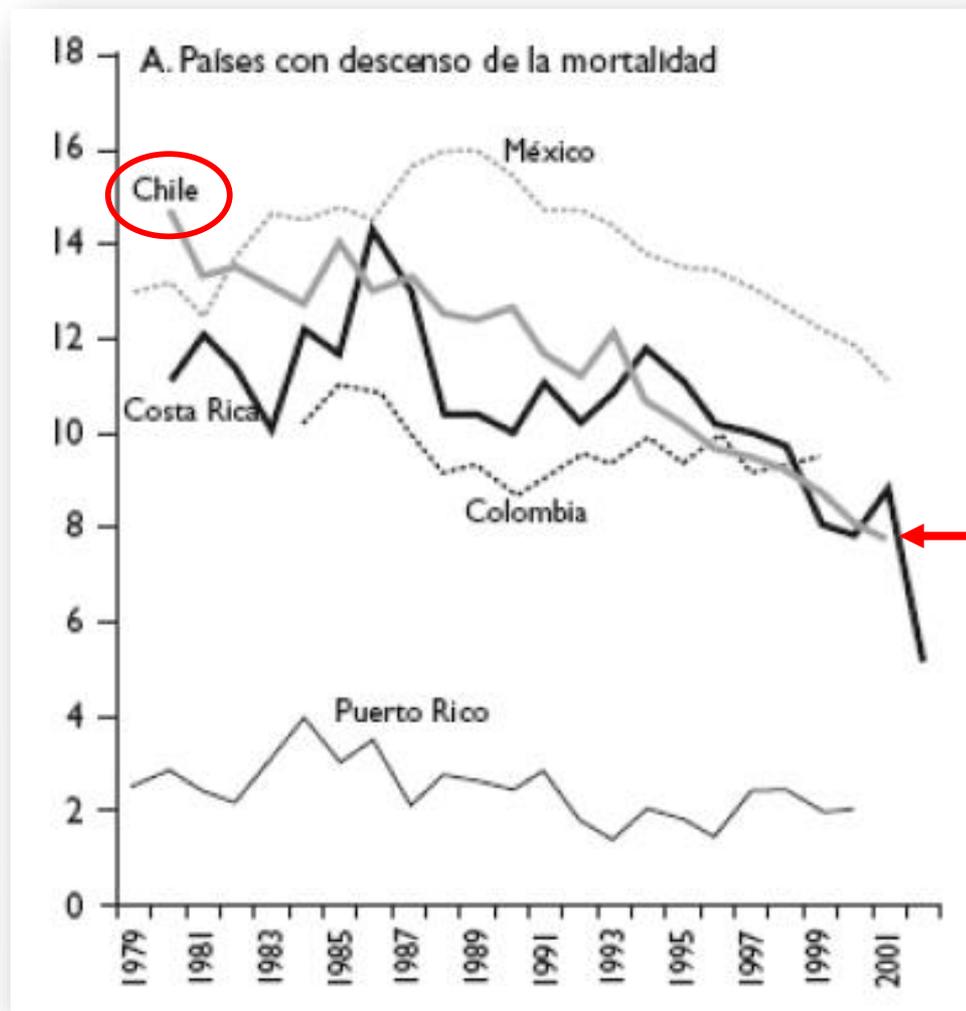
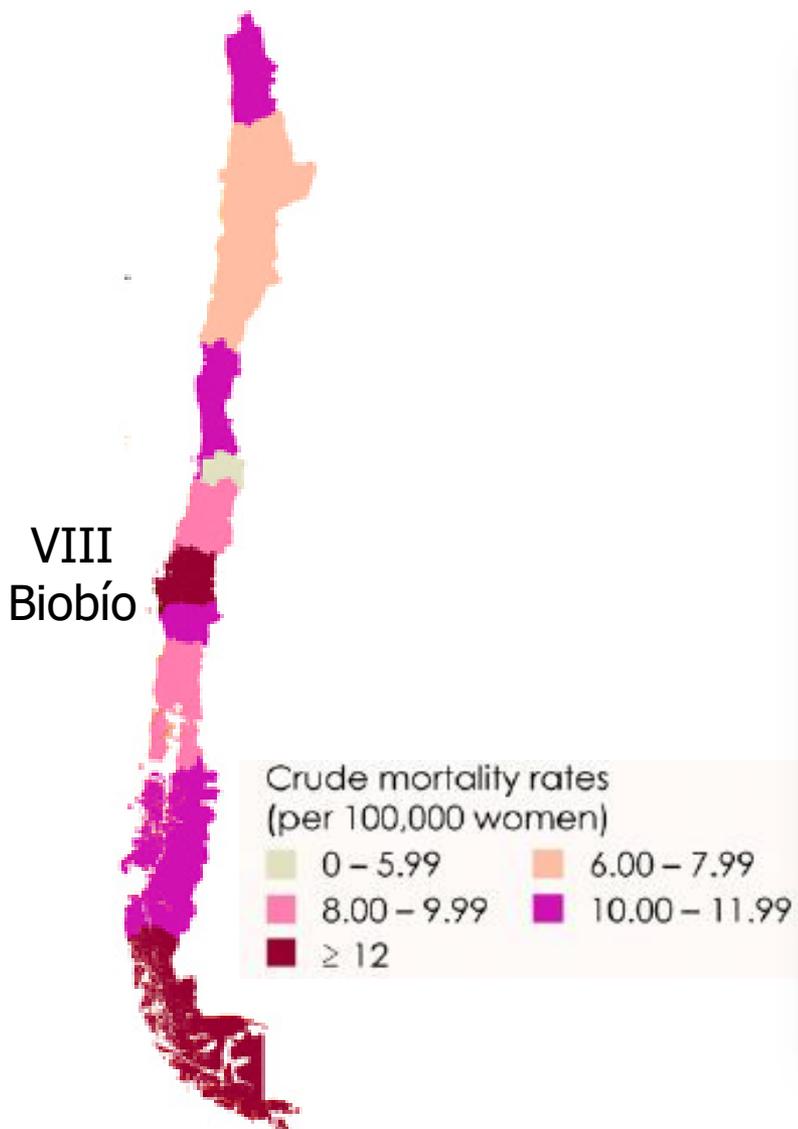


Mecanismos de Oncogenicidad Viral

- Inducción de cambios epigenéticos persistentes
Ej: transfección de keratinocitos primarios con HPV16



Cáncer Cérvico-Uterino en Chile

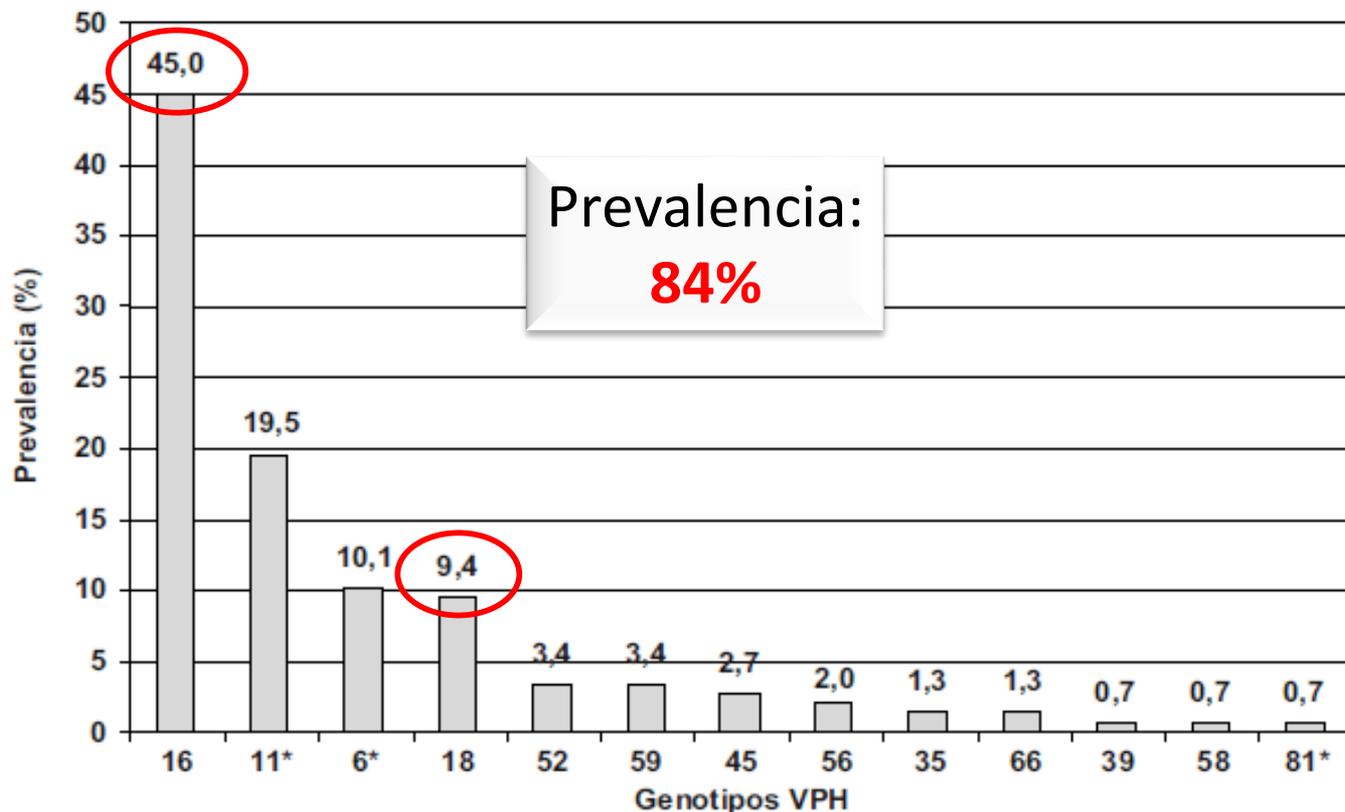


Almonte 2010. Salud Publ México 52, N°6

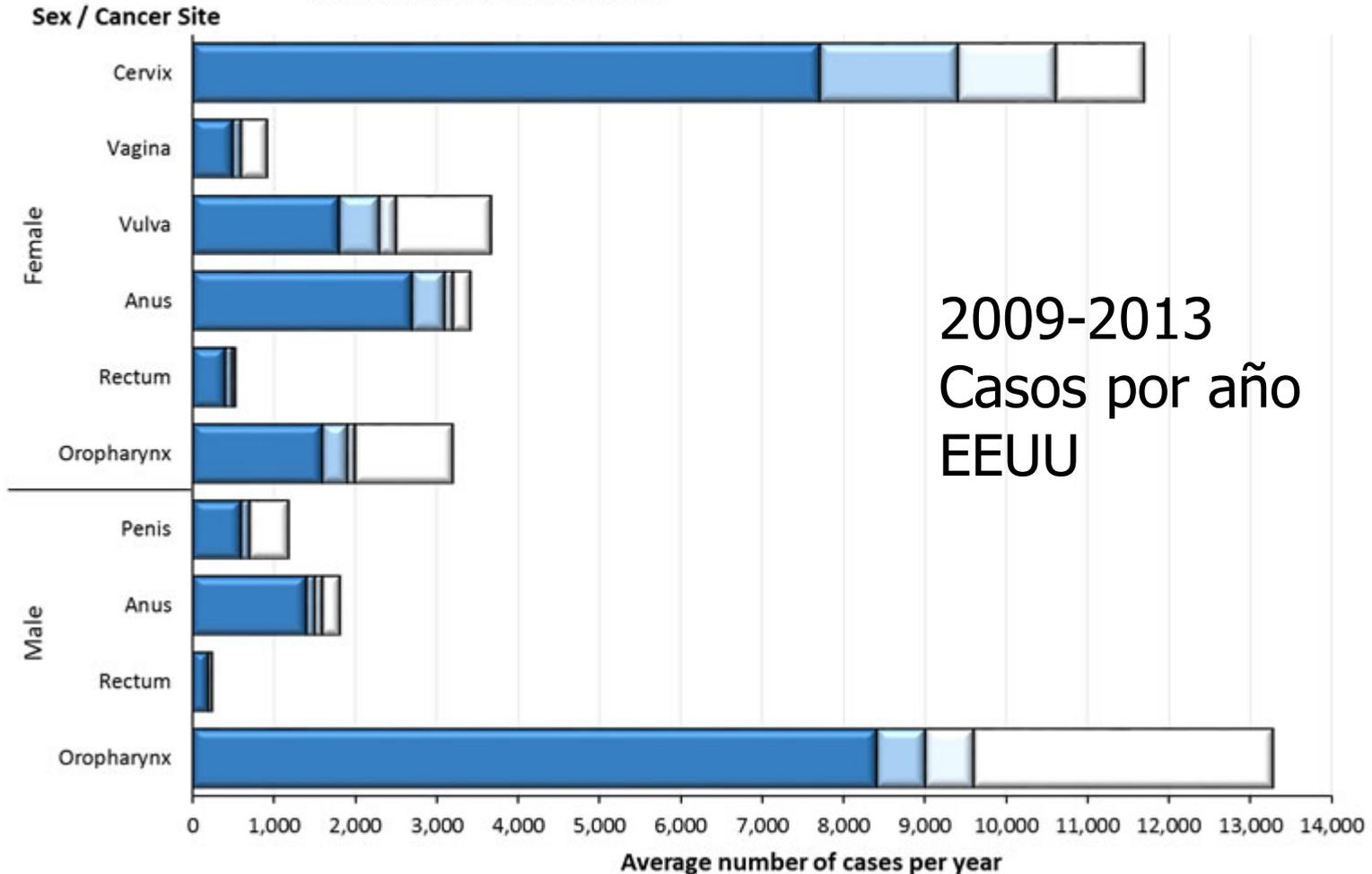
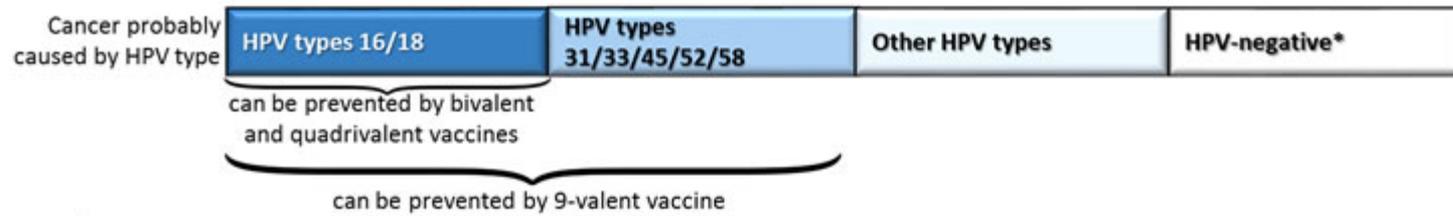
HPV en Chile

Prevalencia de la infección genital por virus papiloma humano en hombres universitarios voluntarios de la IX Región, Chile

- Estudio en 62 estudiantes (carreras de la salud), masculinos, asintomáticos, sexualmente activos



Tipos de Cáncer Causados por HPV

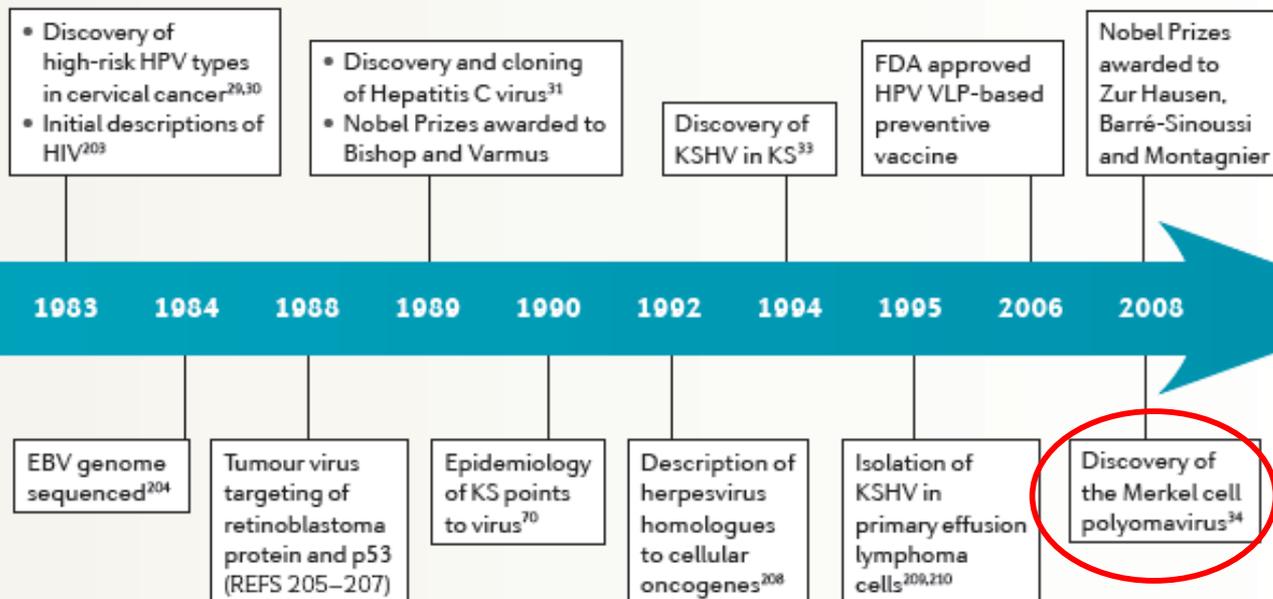
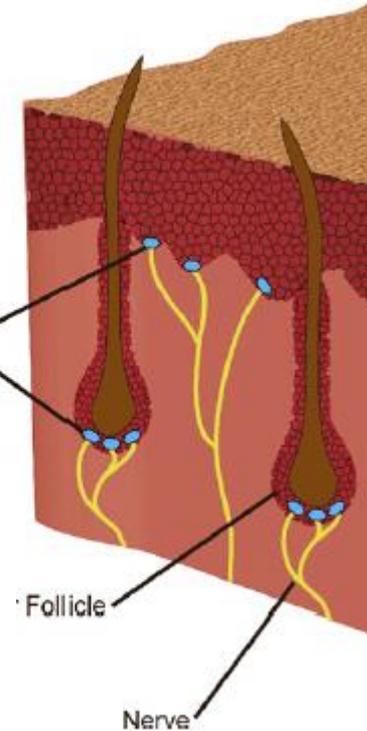


Períodos de Latencia

- Desde que ocurre la infección hasta que se presenta el cáncer, pueden pasar décadas
- Períodos de latencia
- La (re)activación viral puede involucrar diversos factores (p.ej. inmunidad disminuída, adquisición de mutaciones del virus, daño por inflamación crónica)

Merkel Cell Polyoma Virus (MCPV)

- Descubierta en 2008, carcinoma cutáneo de Merkel
- Virus común, seroprevalencia ~80% población adulta
- Exposición en la infancia



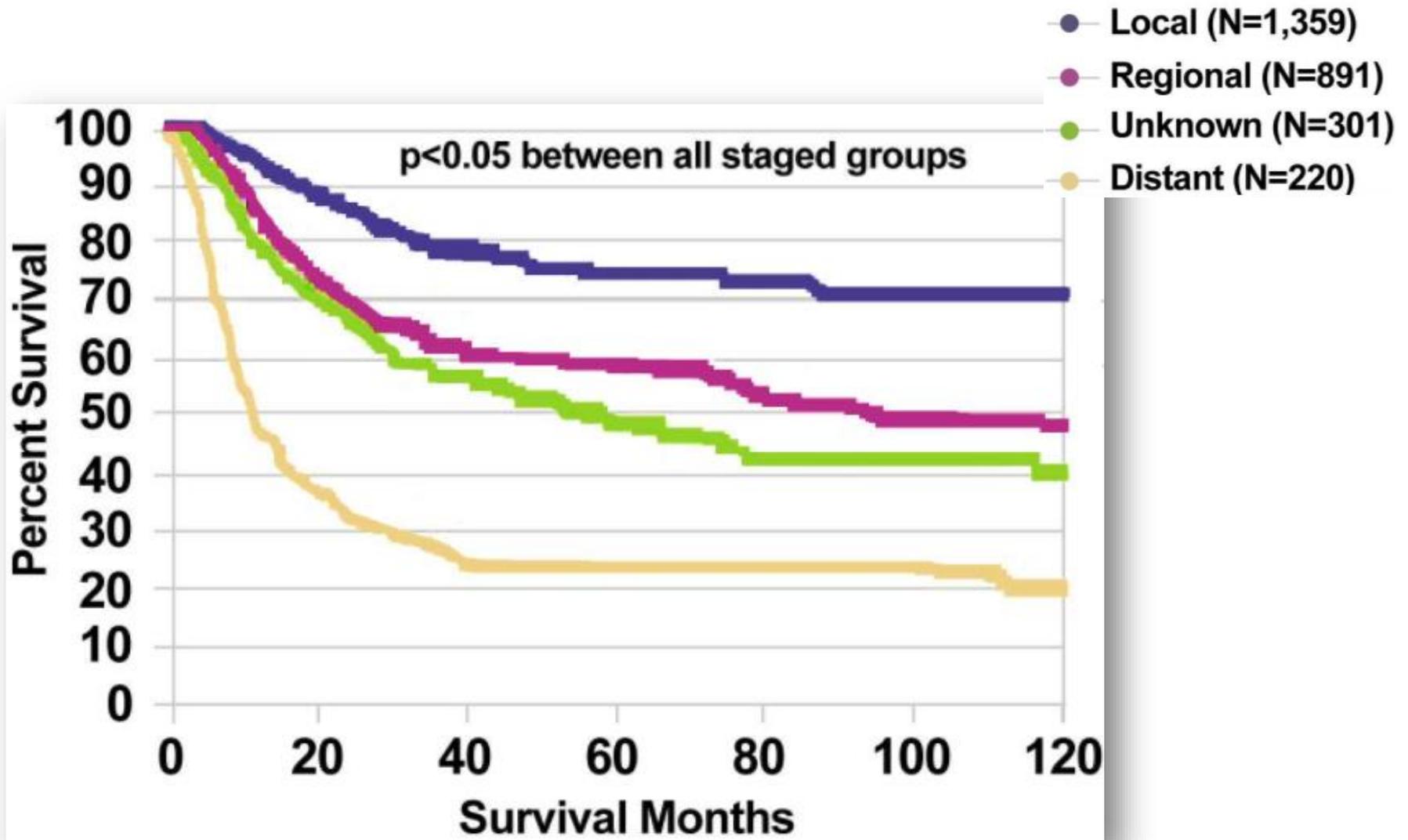
Merkel Cell Polyoma Virus (MCPV)

- Transmisión? Fecal-oral, vías respiratorias, producción viral cutánea, entre hermanos
- ADN viral en ~75% de MCC (rol causal)
- MCC: tumor neuroendocrino, piel expuesta
- Incidencia en aumento (8% anual), varones, factor etario y de inmunosupresión



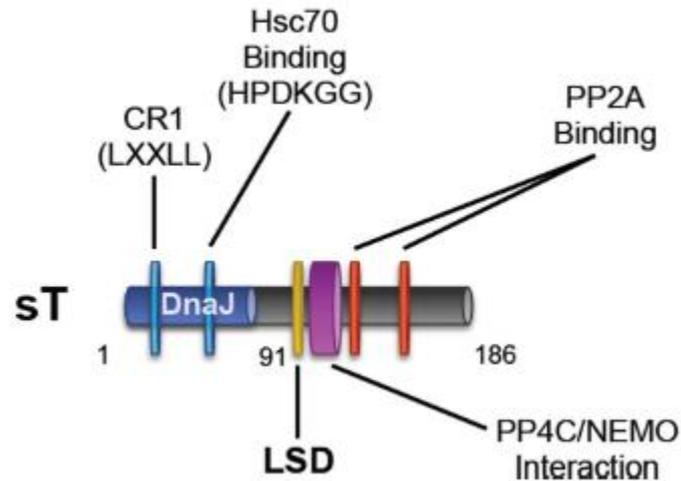
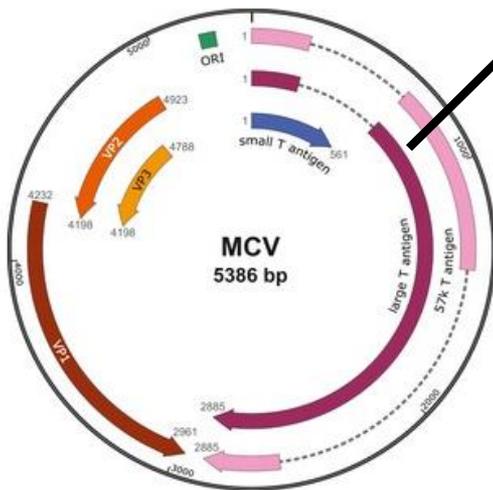
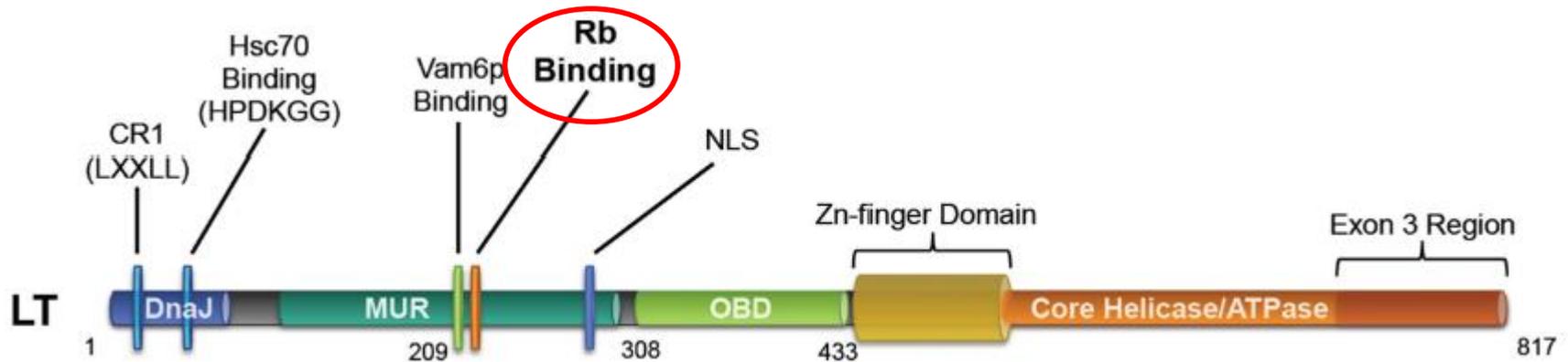
	Men	Women	Total
White	2227	1396	3673
Black	17	21	38
Other	86	73	159
Total	2380	1490	3870

Merkel Cell Carcinoma (MCC)

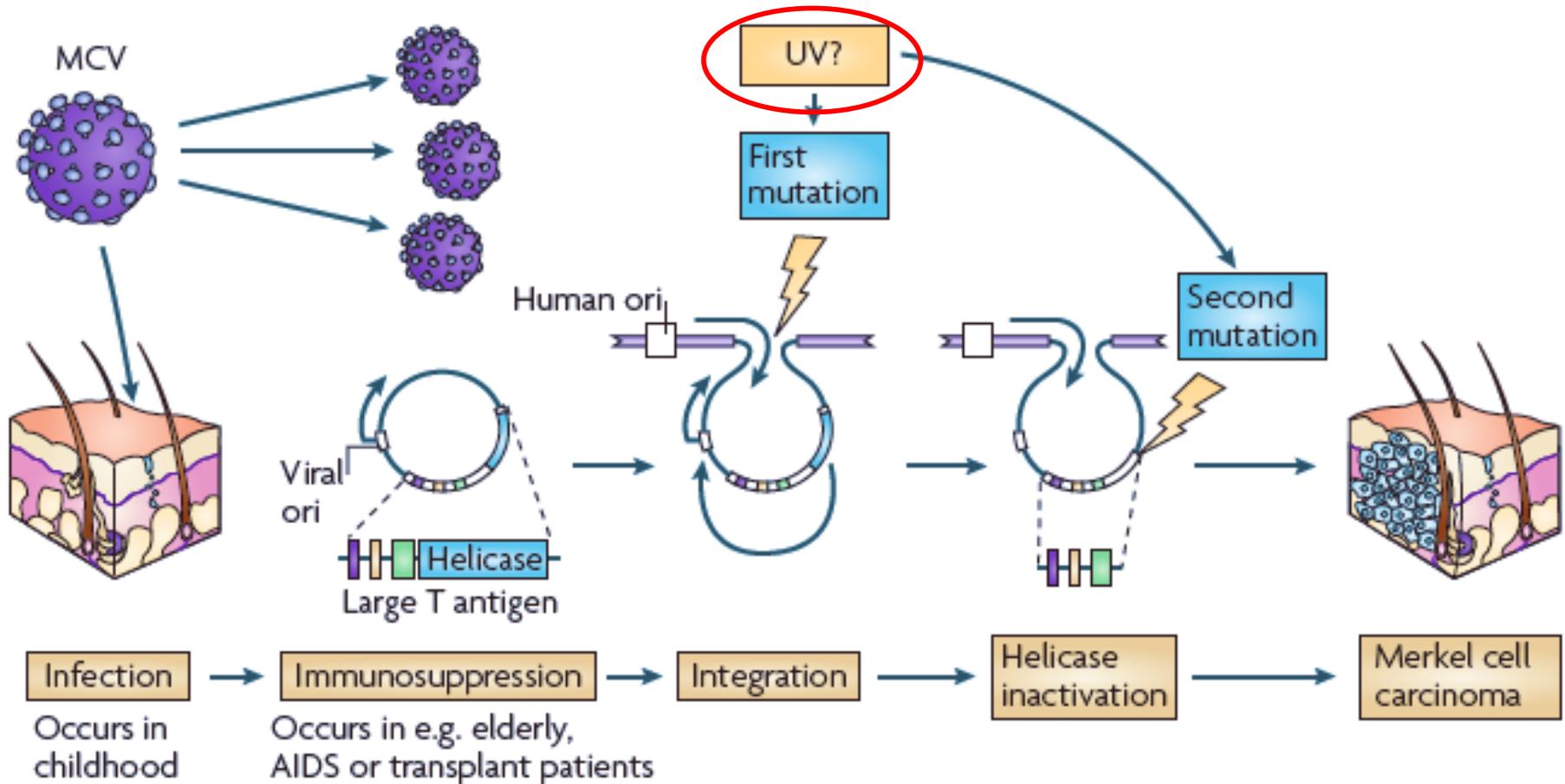


MCV: Genoma

- Genoma ADN, doble hebra
- Proteínas transformantes: antígenos T (small T, large T)



MCV: Activación Oncogénica



Moore 2010. Nature Rev Cancer 10;:878-89

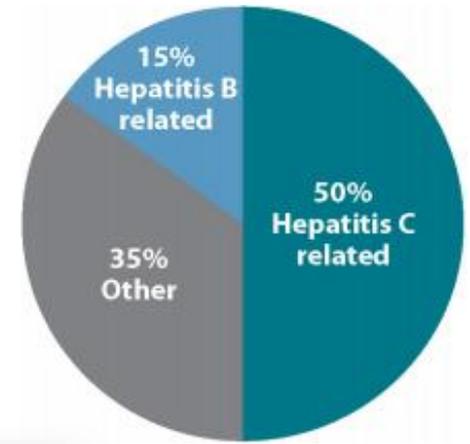
MCV presenta mutaciones tumor-específicas → evolución viral, activación

HBV y Hepatocarcinogénesis

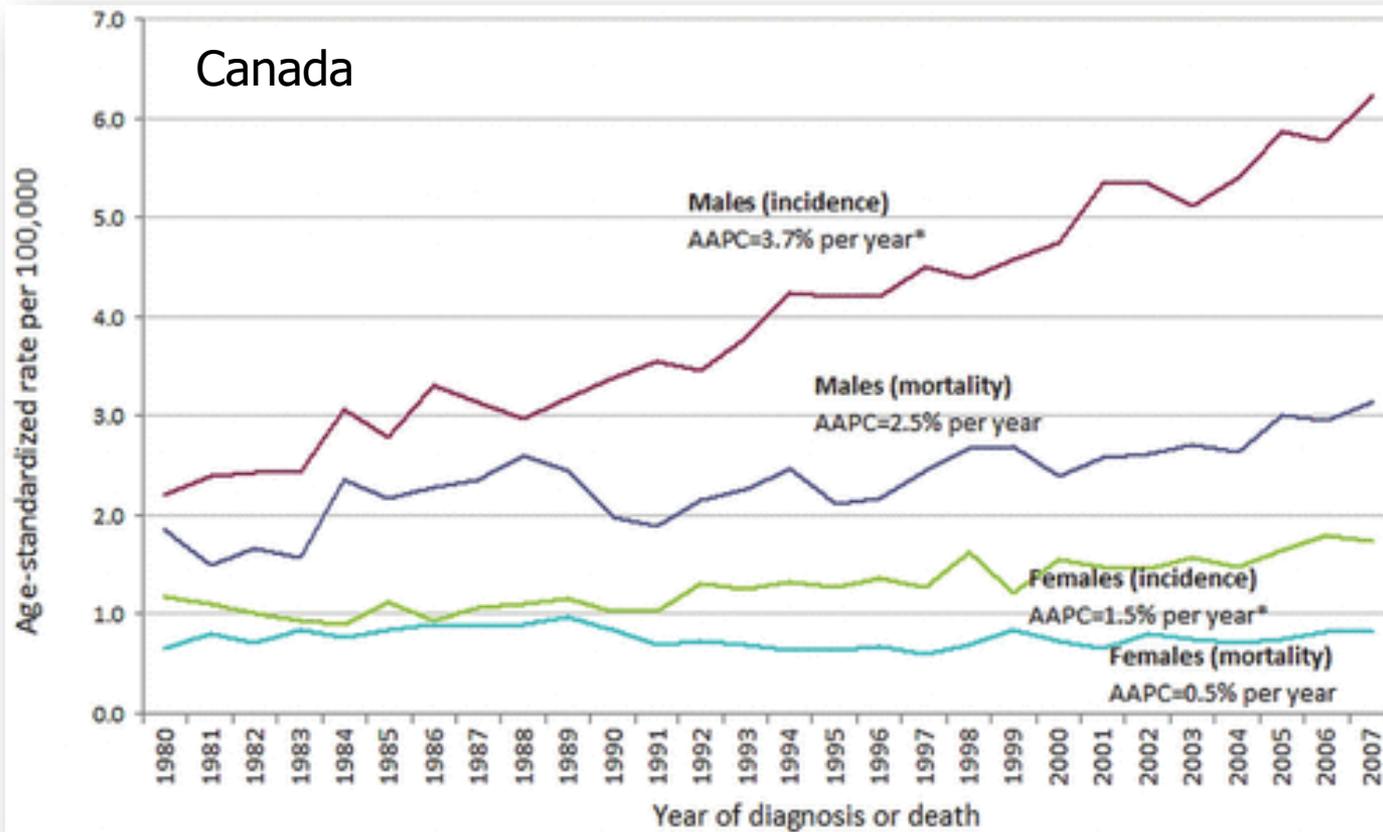
- Transmisión: sangre infectada
- ~257 millones de personas con infección crónica
- 887.000 muertes en 2015 (cirrosis, carcinoma hepatocelular)
- Prevención: vacuna
- Enfermedad crónica: exposición temprana (infancia)
- Tratamiento con agentes antivirales

HBV y Hepatocarcinogénesis

- HBV: ~23% casos de carcinoma hepatocelular (países desarrollados)
- HBV crónico: 20-100x riesgo de HCC

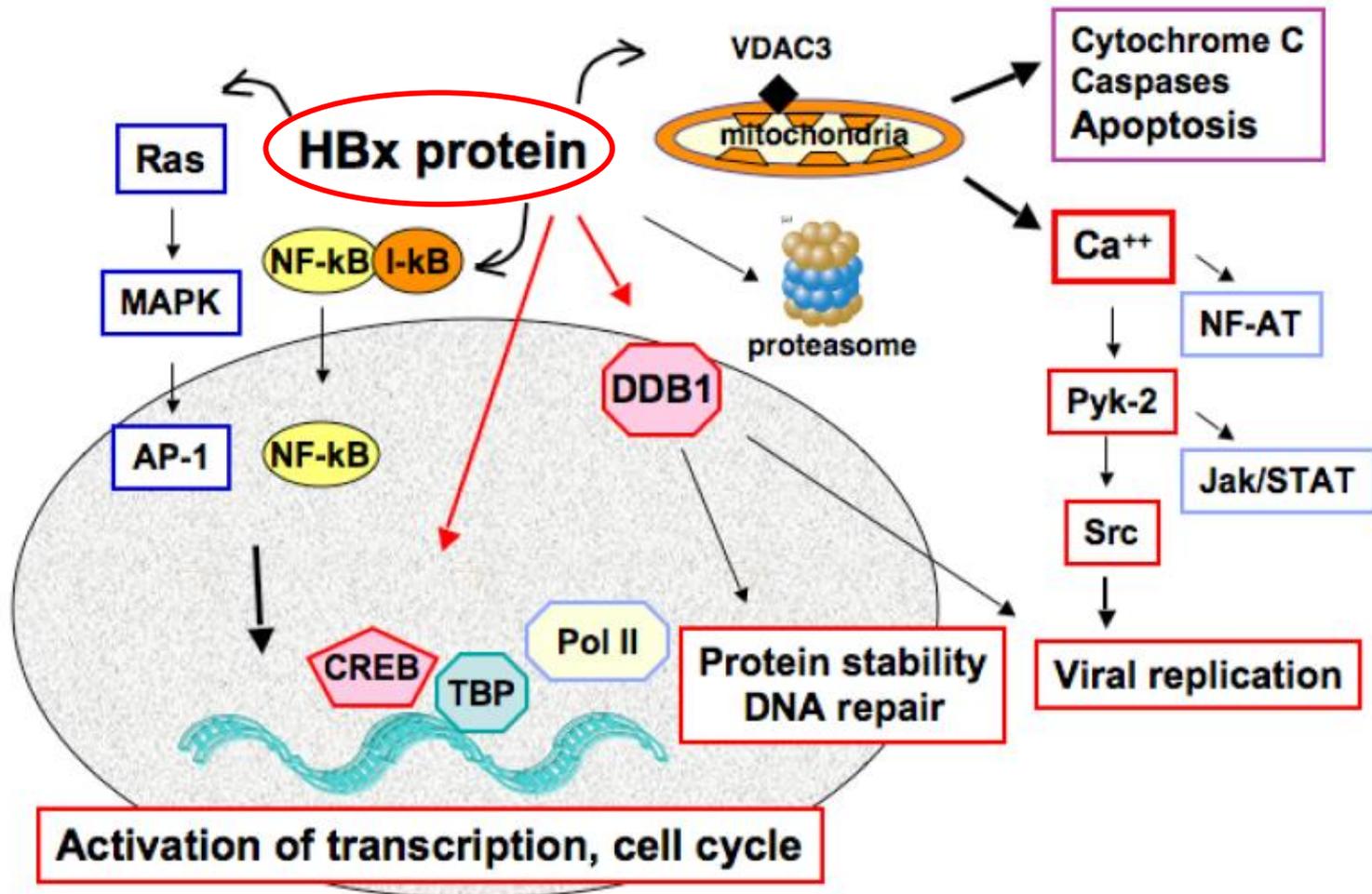


EEUU



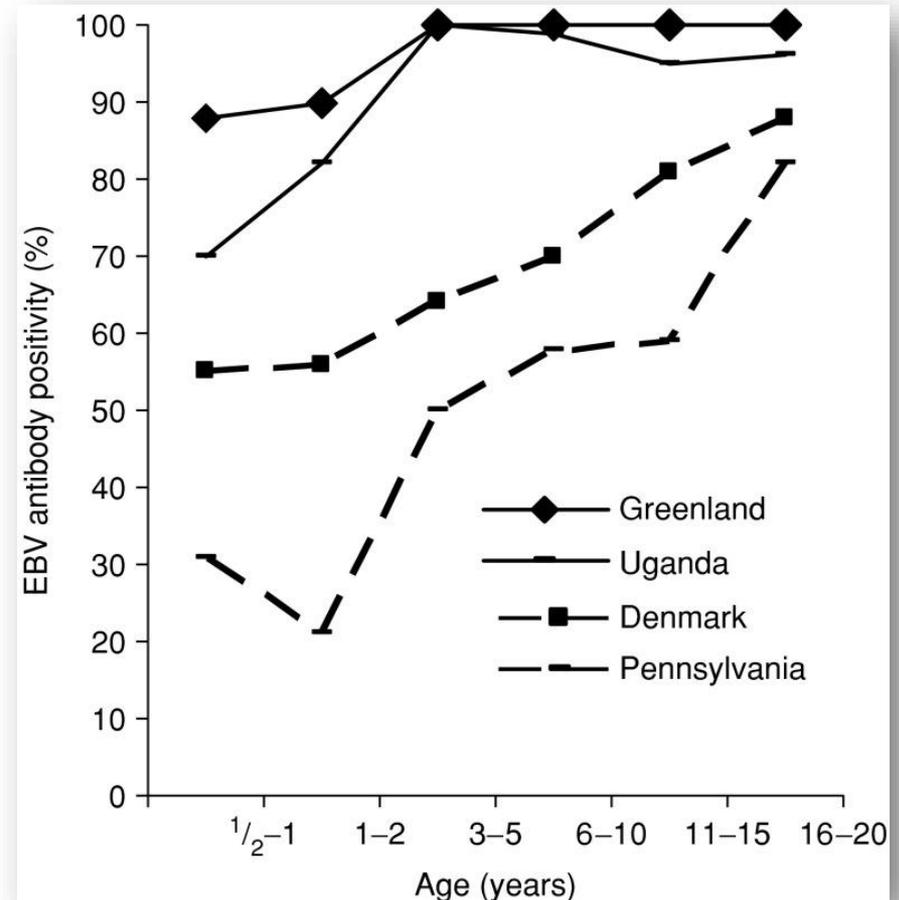
Transformación por HBV

- Integración del genoma viral, disrupción génica (*MYC*)
- Proteína HbX



Epstein Barr Virus (EBV)

- Alta prevalencia de seropositividad (familia herpes)
- EBV1 y EBV2: asociados a mismas patologías
- Transmisión: saliva
- Infecta células linfoides, epiteliales
- Mononucleosis infecciosa
- Infección crónica activa → linfoma

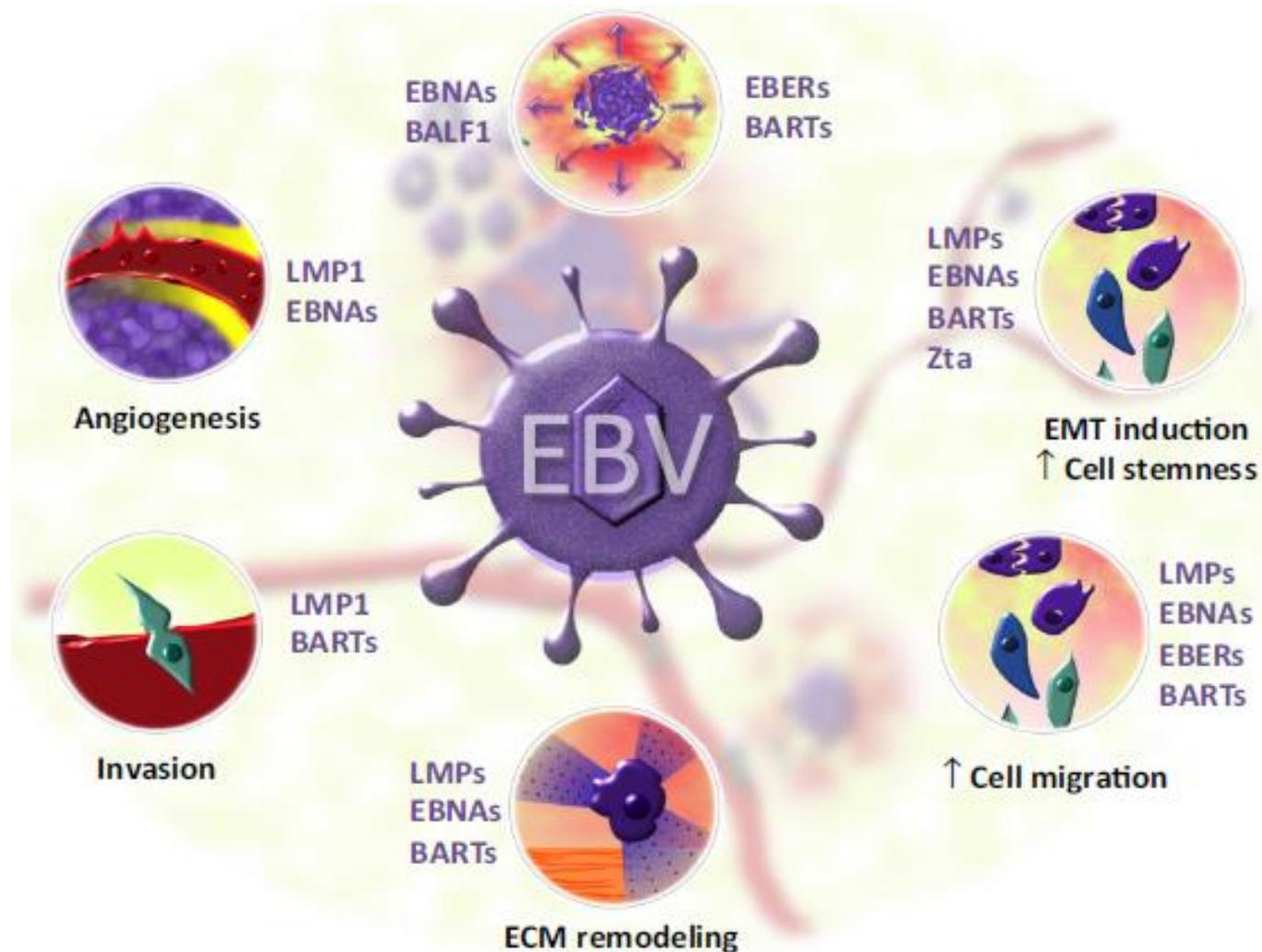


EBV y Enfermedades Malignas

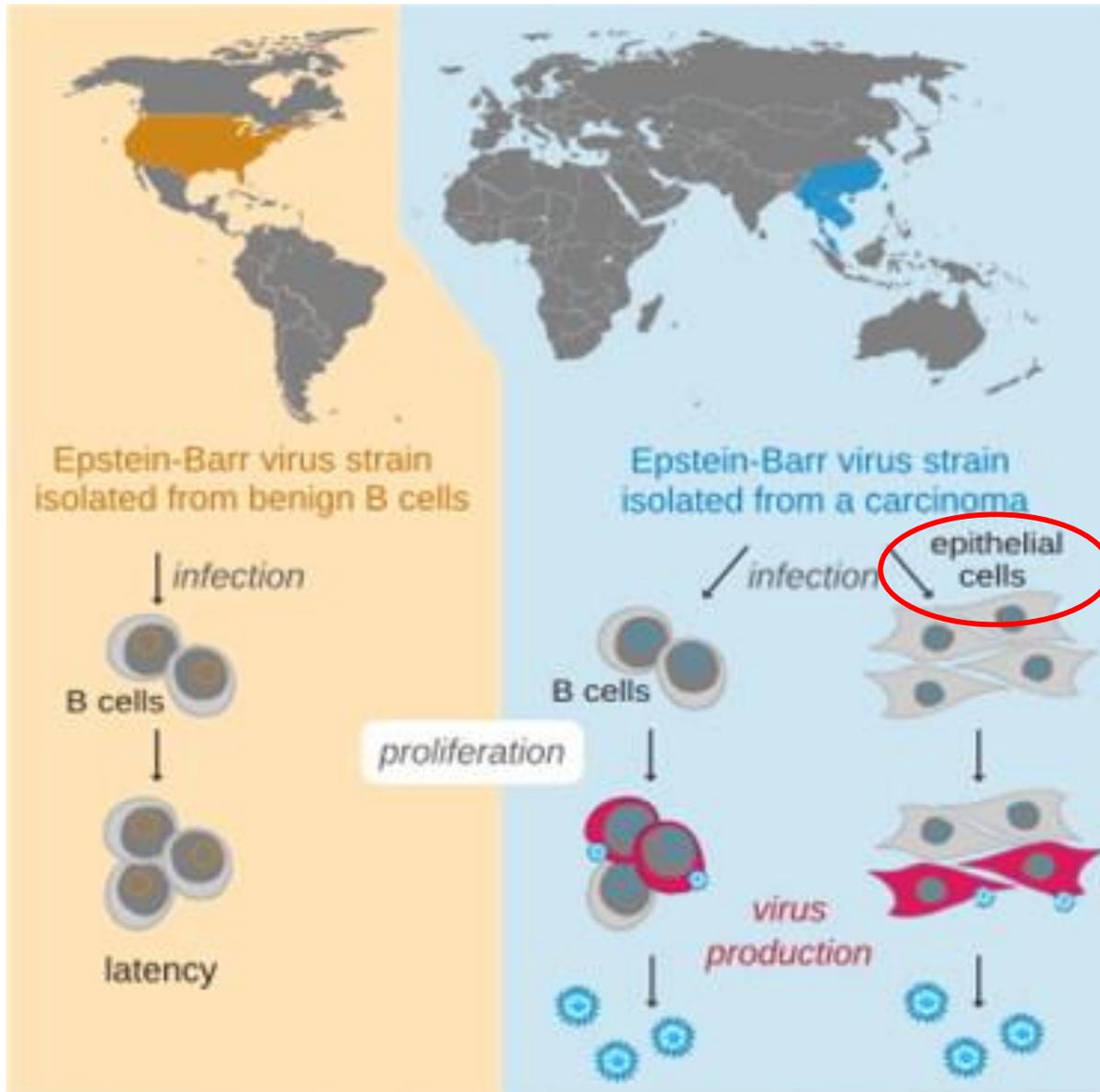
Malignancy	Lines of evidence
	<ul style="list-style-type: none"> • Elevated anti-EBV antibody titers preceding and at diagnosis • Elevated levels of free EBV DNA at diagnosis
Nasopharyngeal carcinoma ASIA	Correlation between anti-EBV antibodies and free virus DNA in plasma, and tumor burden and prognosis
Lymphomas Burkitt's lymphoma variants AFRICA	<ul style="list-style-type: none"> • Demonstration of monoclonal EBV in tumor cells • Elevated anti-EBV antibody titers preceding and at diagnosis • Demonstration of monoclonal EBV in tumor cells • Increased occurrence in immune suppressed patients • Increased occurrence compared with general population
AIDS associated lymphoma [other than Burkitt' lymphoma]	<ul style="list-style-type: none"> • Overall risk correlates with immune function • Demonstration of monoclonal EBV in malignant cells • Increased occurrence compared with general population • Overall risk correlates with immune function
Post-transplant lymphoma	• Demonstration of monoclonal EBV in malignant cells
Nasal T/NK lymphoma	• Demonstration of monoclonal EBV in tumor cells
Hodgkin's lymphoma	<ul style="list-style-type: none"> • Increased risk in infectious mononucleosis patients • Increased risk in immune suppression • Elevated anti-EBV antibody titres preceding and at diagnosis • Demonstration of mononclonal EBV in malignant cells • Elevated anti-EBV antibody titers preceding and at diagnosis
Gastric adenocarcinoma	• Demonstration of monoclonal EBV in tumor cells
Lymphoepithelioma-like carcinoma	• Demonstration of monoclonal EBV in malignant cells
Leiomyosarcoma	<ul style="list-style-type: none"> • Increased risk with immunosuppression • Demonstration of mononclonal EBV in malignant cells

EBV Genoma

- ADN doble hebra, 180 Kb, >80 productos virales



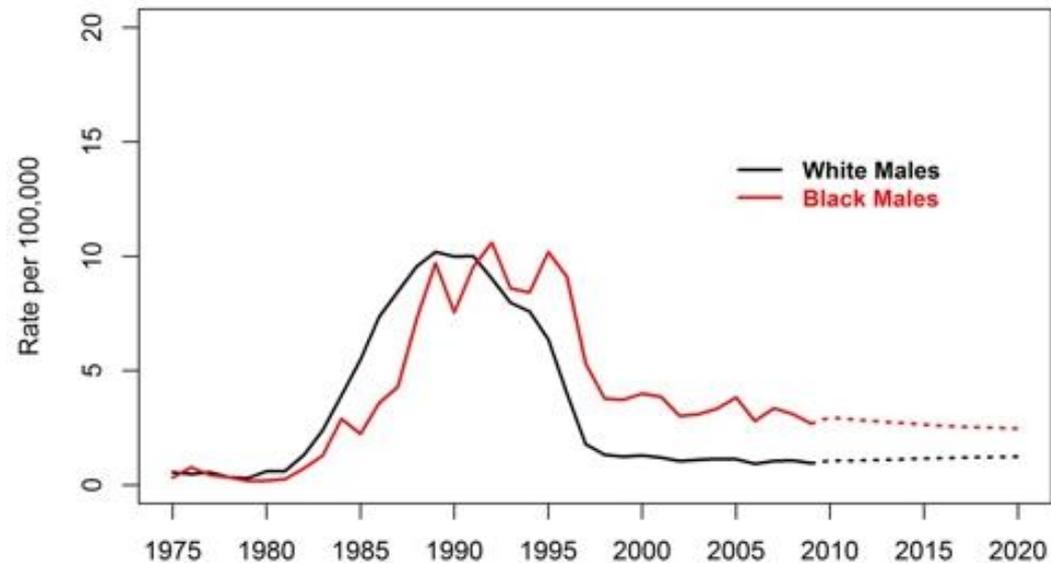
Divergencia en Genoma del EBV



Tropismo selectivo:
células
epiteliales

Kaposi's Sarcoma Virus

- Familia virus Herpes, descubierto 1994
- Transmisión por contacto homosexual, asociada a HIV, en menor proporción por transfusión, pacientes inmunosuprimidos
- Sarcoma de Kaposi, linfoma, síndrome de Castleman



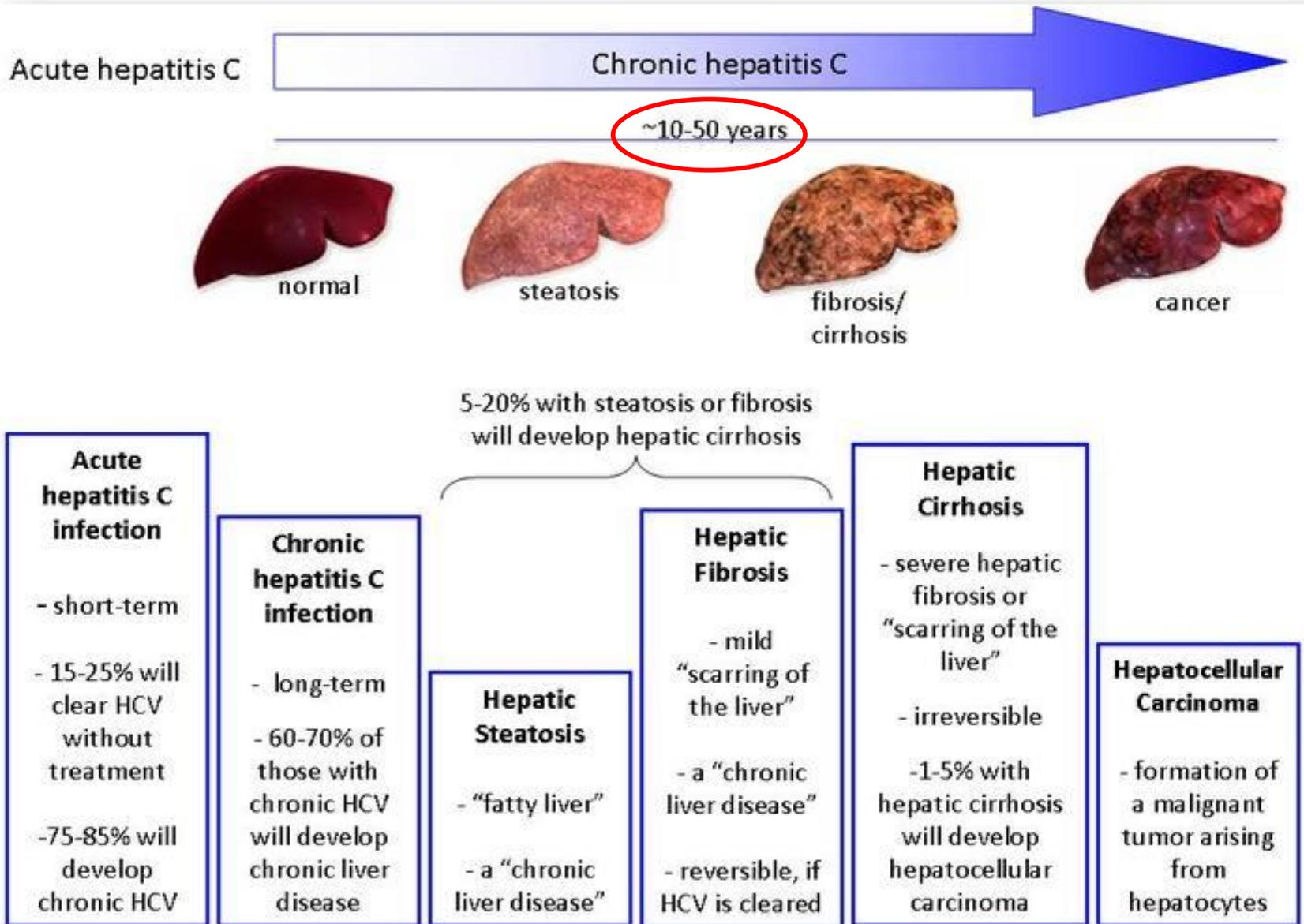
Otros Virus

ARN

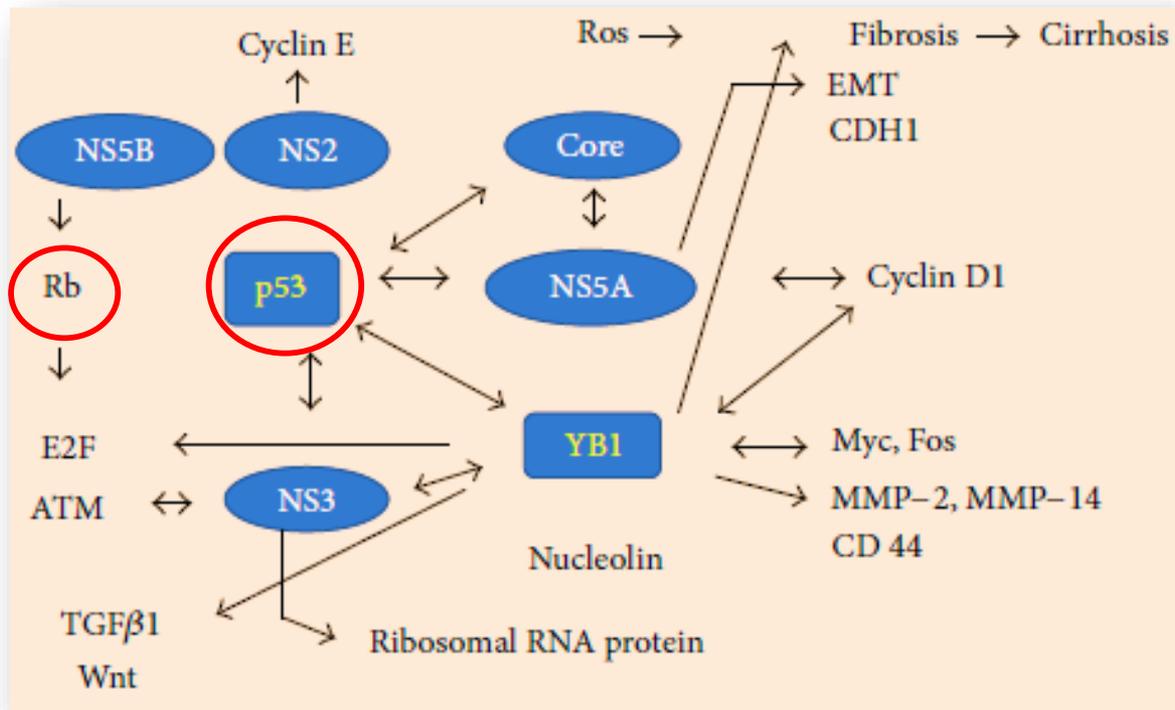
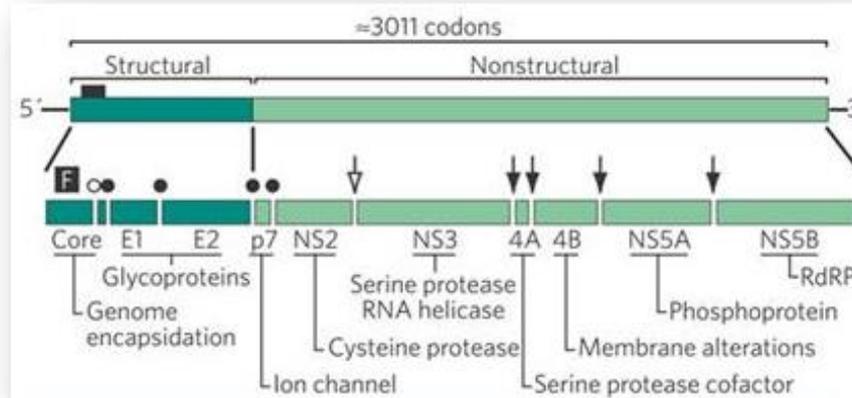
Hepatitis C Virus (HCV)

- Genoma ARN, virus pequeño
- Transmisión por productos sanguíneos, agujas contaminadas, transfusiones
- ~71 millones de personas con infección crónica por HCV
- 399.000 muertes/año (cirrosis, cáncer hepatocelular)
- Sin vacuna; tratamiento agentes antivirales
- Infección aguda vs. crónica

HCV y Hepatocarcinogénesis

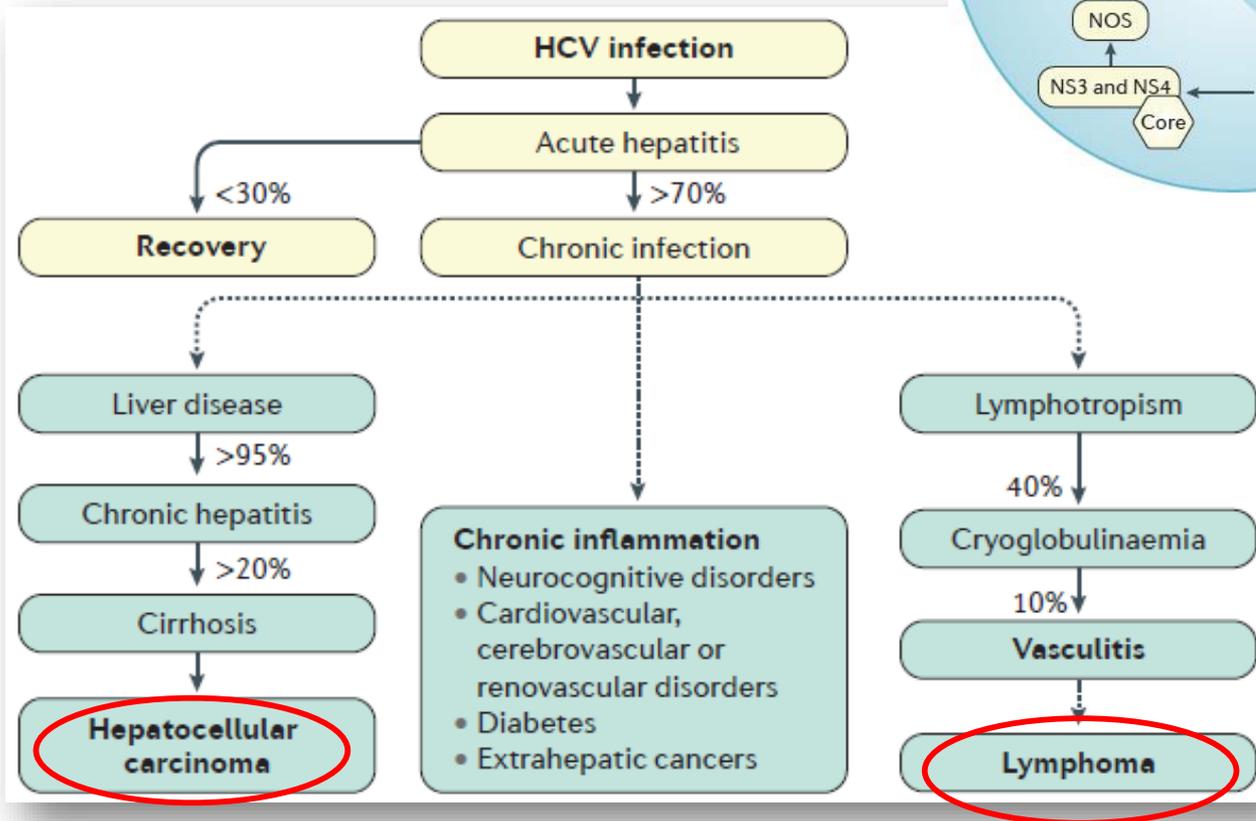
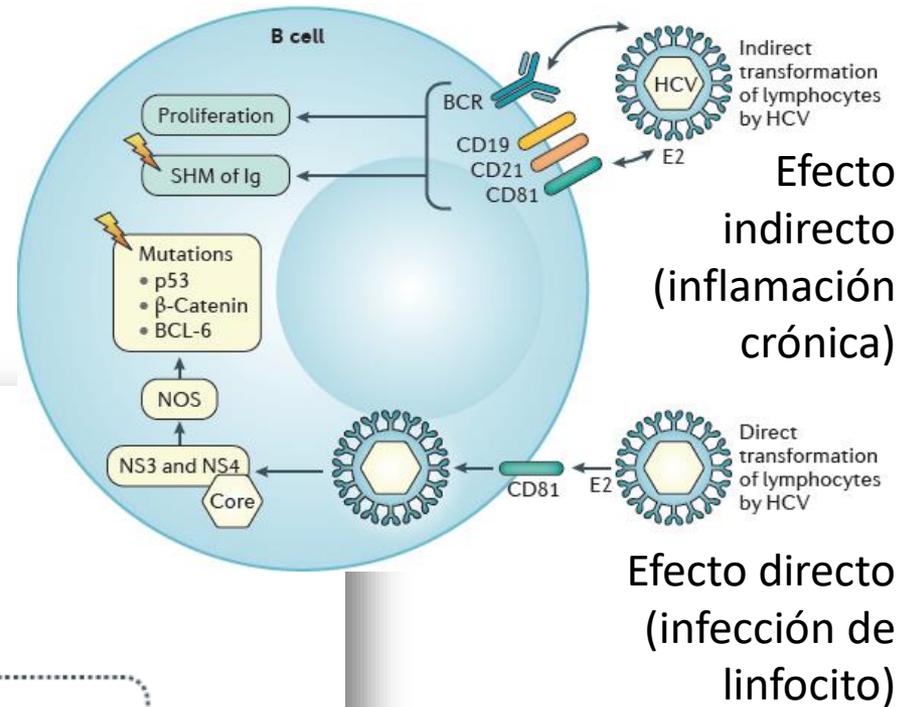


HCV Genoma, Proteínas, Interacciones



HCV: ¿Factor Etiológico en Linfoma?

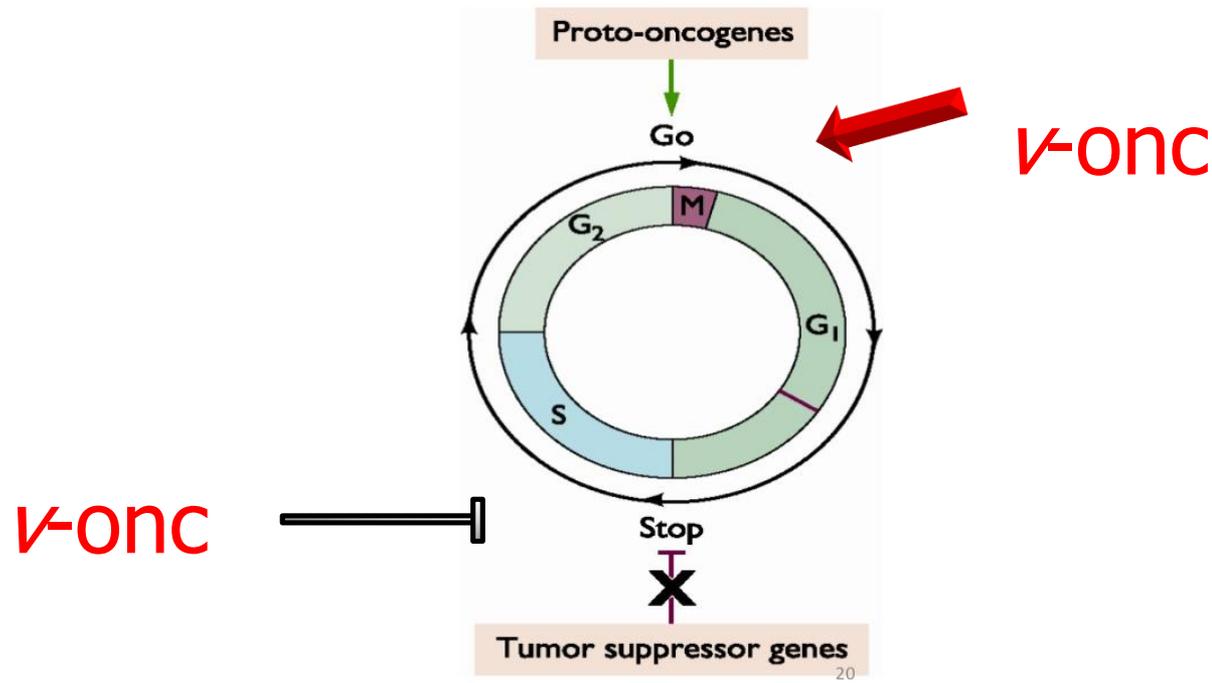
Nature Rev Gastroenterol Hepatology 2018.
doi:10.1038/nrgastro.2017.172



Resumen

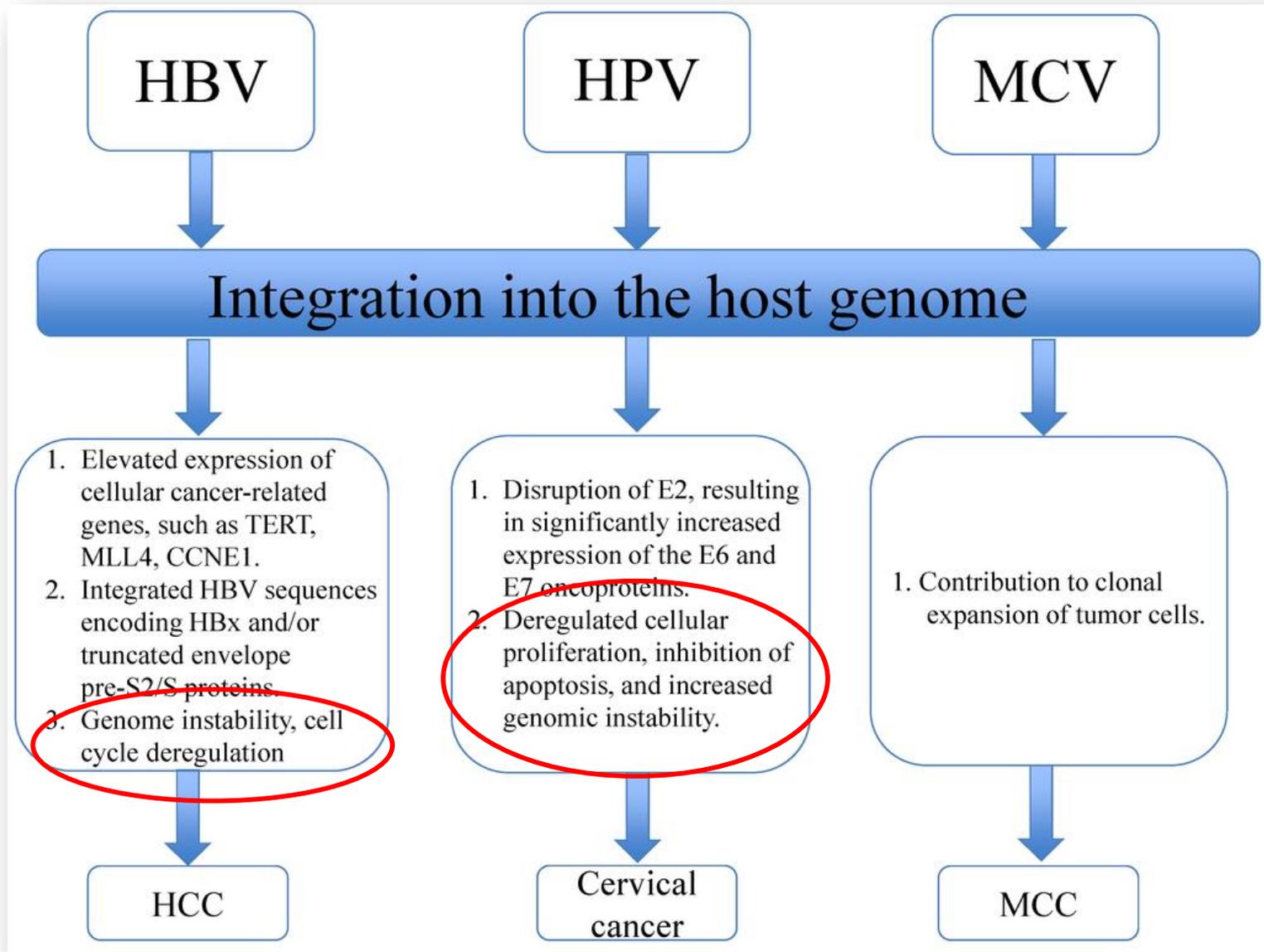
- Existen diferentes subtipos de virus oncogénicos (genomas ADN, ARN)
- Los virus oncogénicos alteran vías claves del control celular (proliferación, apoptosis, epigenoma)
- Su capacidad transformante se asocia a la presencia de oncogenes virales
- La aparición de tumores involucra un período de latencia (infección en la infancia)

Mecanismos de Oncogenicidad Viral



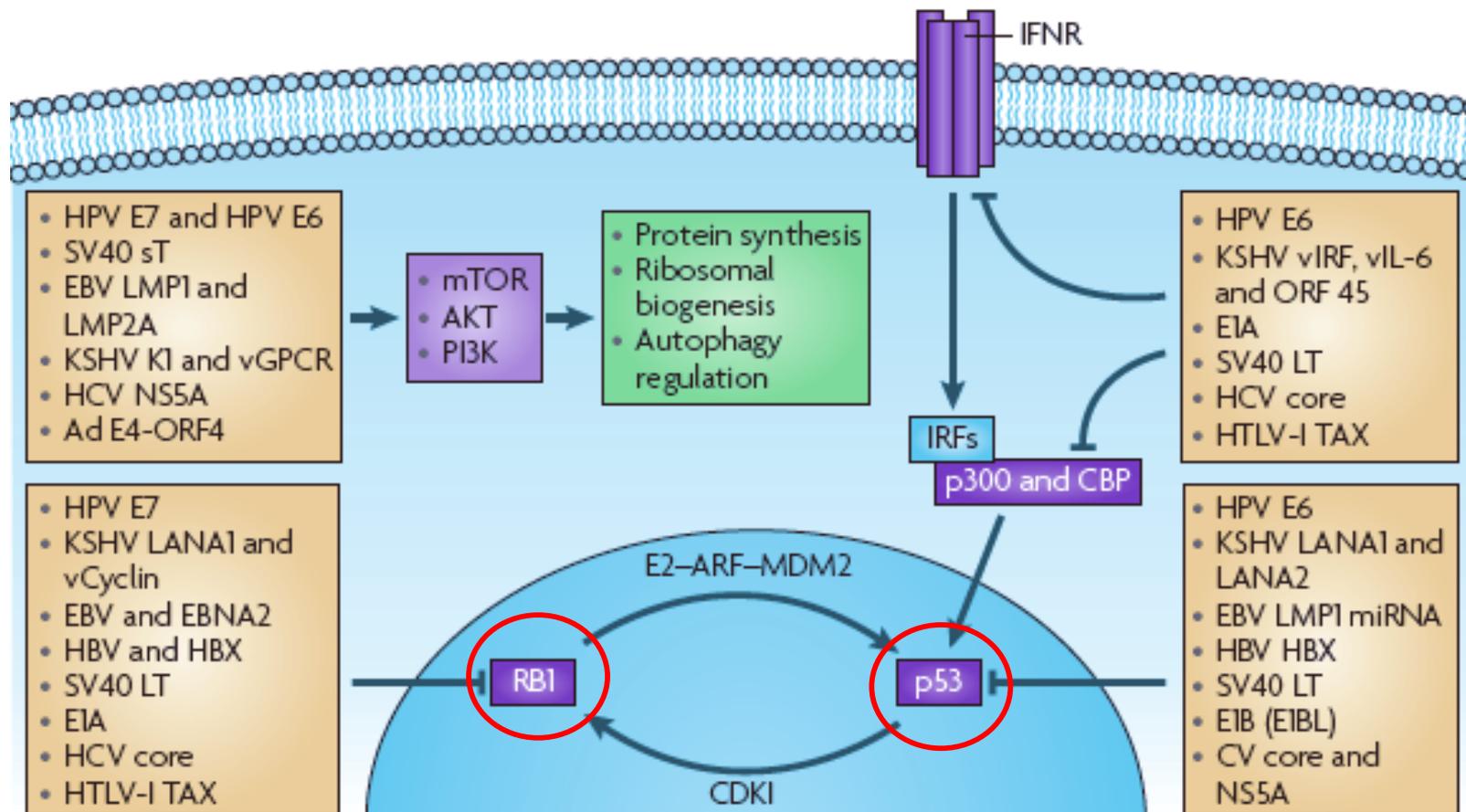
- Promueven proliferación celular (*v-onc*)
- Interferencia con genes supresores de tumores
- Inserción y disrupción génica (mutagénesis insercional)
- Mecanismos de inflamación crónica

Integración Viral al Genoma Celular



Resumen

Diferentes proteínas transformantes, blancos celulares compartidos



También miRNAs Virales



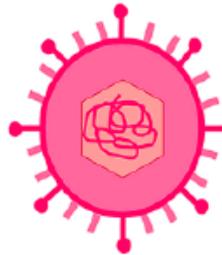
HBV

HBV-miRNA-2
HBV-miRNA-3

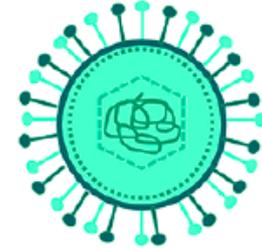


MCPyV

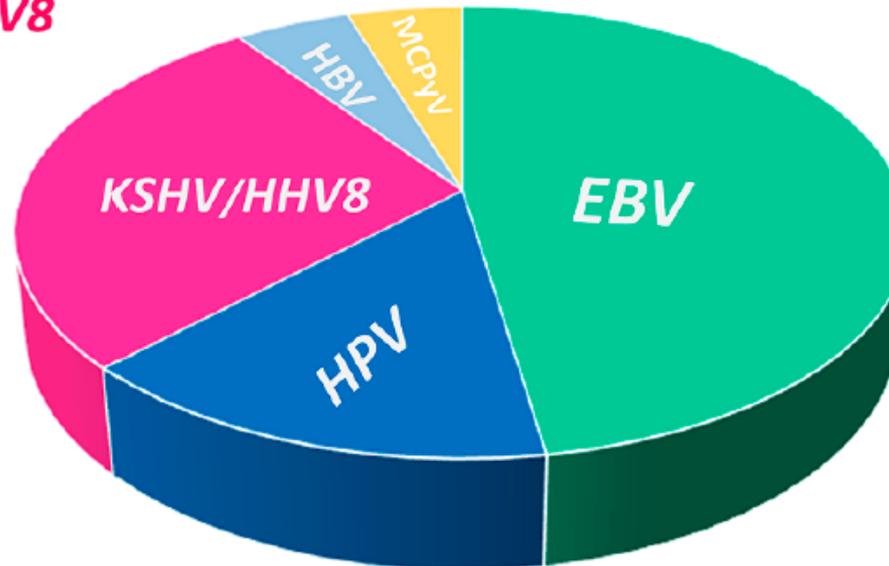
MCV-miR-M1-3p
MCV-miR-M1-5p



KSHV/HHV8



EBV



- | | |
|---------------------|-------------------|
| kshv-miR-K12-10a-3p | kshv-miR-K12-4-3p |
| kshv-miR-K12-10a-5p | kshv-miR-K12-4-5p |
| kshv-miR-K12-10b | kshv-miR-K12-5-3p |
| kshv-miR-K12-11-3p | kshv-miR-K12-5-5p |
| kshv-miR-K12-11-5p | kshv-miR-K12-6-3p |
| kshv-miR-K12-12-3p | kshv-miR-K12-6-5p |
| kshv-miR-K12-12-5p | kshv-miR-K12-7-3p |
| kshv-miR-K12-1-3p | kshv-miR-K12-7-5p |
| kshv-miR-K12-1-5p | kshv-miR-K12-8-3p |
| kshv-miR-K12-2-3p | kshv-miR-K12-8-5p |
| kshv-miR-K12-2-5p | kshv-miR-K12-9-3p |
| kshv-miR-K12-3-3p | kshv-miR-K12-9-5p |
| kshv-miR-K12-3-5p | |

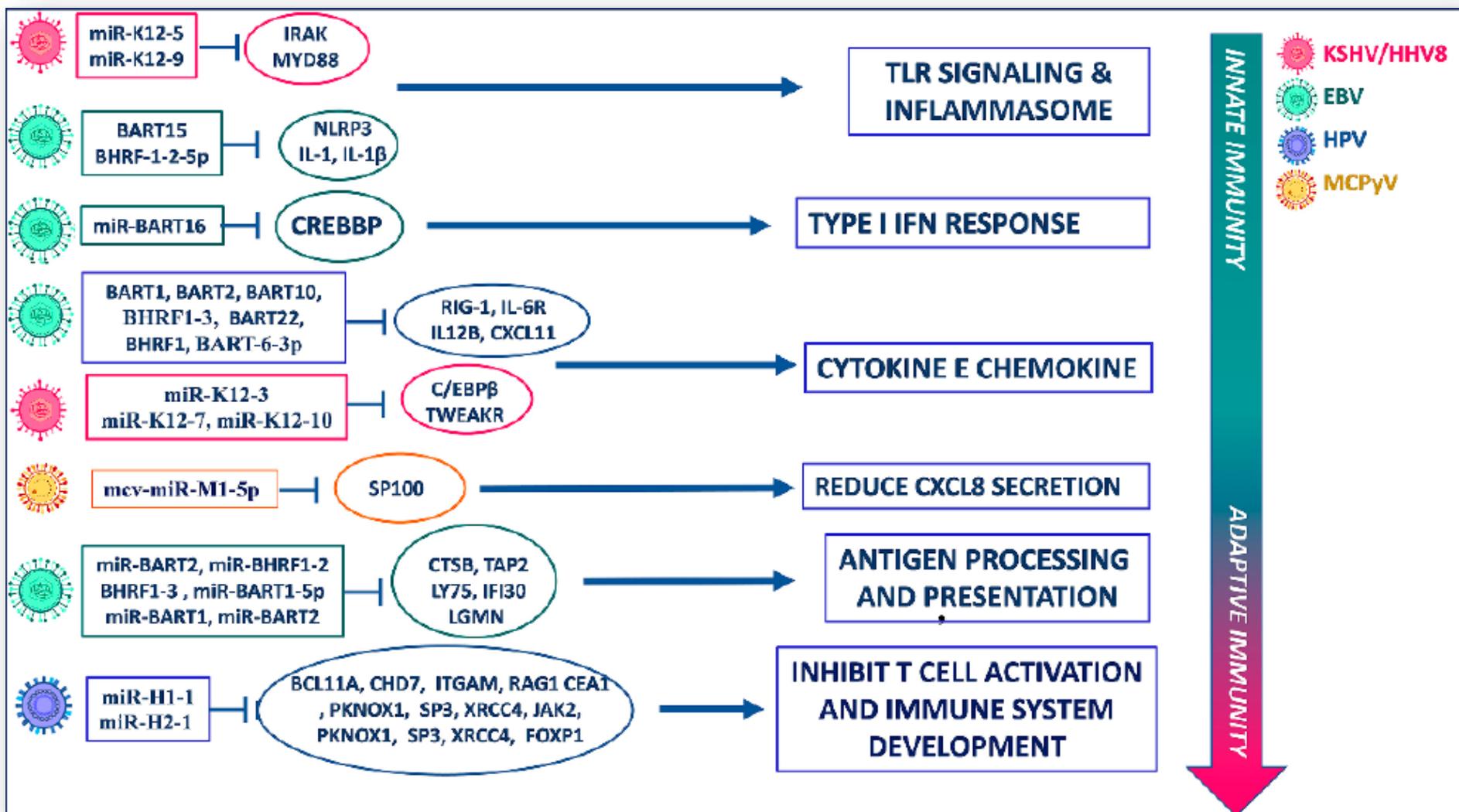
- | | |
|-------------------|--------------------|
| ebv-miR-BART10-3p | ebv-miR-BART21-5p |
| ebv-miR-BART10-5p | ebv-miR-BART22 |
| ebv-miR-BART11-3p | ebv-miR-BART2-3p |
| ebv-miR-BART11-5p | ebv-miR-BART2-5p |
| ebv-miR-BART12 | ebv-miR-BART3-3p |
| ebv-miR-BART13-3p | ebv-miR-BART3-5p |
| ebv-miR-BART13-5p | ebv-miR-BART4-3p |
| ebv-miR-BART1-3p | ebv-miR-BART4-5p |
| ebv-miR-BART14-3p | ebv-miR-BART5-3p |
| ebv-miR-BART14-5p | ebv-miR-BART5-5p |
| ebv-miR-BART15 | ebv-miR-BART6-3p |
| ebv-miR-BART1-5p | ebv-miR-BART6-5p |
| ebv-miR-BART16 | ebv-miR-BART7-3p |
| ebv-miR-BART17-3p | ebv-miR-BART7-5p |
| ebv-miR-BART17-5p | ebv-miR-BART8-3p |
| ebv-miR-BART18-3p | ebv-miR-BART8-5p |
| ebv-miR-BART18-5p | ebv-miR-BART9-3p |
| ebv-miR-BART19-3p | ebv-miR-BART9-5p |
| ebv-miR-BART19-5p | ebv-miR-BHRF1-1 |
| ebv-miR-BART20-3p | ebv-miR-BHRF1-2-3p |
| ebv-miR-BART20-5p | ebv-miR-BHRF1-2-5p |
| ebv-miR-BART21-3p | ebv-miR-BHRF1-3 |



HPV

- | | |
|--------------|--------------|
| HPV6-miR-H1 | HPV16-miR-H6 |
| HPV16-miR-H1 | HPV38-miR-H1 |
| HPV16-miR-H2 | HPV45-miR-H1 |
| HPV16-miR-H3 | HPV68-miR-H1 |
| HPV16-miR-H5 | |

miRNAs Virales: Inmuno-Evasión





“Tumors destroy man in a unique and appalling way, as flesh of his own flesh which has somehow been rendered proliferative, rampant, predatory and ungovernable. They are the most concrete and formidable of human maladies, yet despite more than 70 years of experimental study they remain the least understood”.

Peyton Rous, 1966, Nobel Prize Lecture

Bibliografía

- **R. Weinberg, Chapter 3**

<http://web.mit.edu/jlee08/Public/Cancer/Weinberg-chapter3.pdf>

- Guía Clínica Minsal (HPV))

(<http://www.minsal.cl/portal/url/item/720bfefe91e9d2ede04001011f010ff2.pdf>)

- Guía Clínica AUGE 015 (HPV)

(<http://web.minsal.cl/wp-content/uploads/2015/09/GPC-CaCU.pdf>)